

**Table S4. The expression profiles of tRNA-Cys-GCA derived tsRNAs with in glioma samples.**

barcode	tRFdb-3003a	tRFdb-3003b	tRFdb-5015a	tRFdb-5016a	tRFdb-5017a	tRFdb-5017b	ts-55	ts-56	ts-60
TCGA-CS-4938-01B	15.879	15.507	NA	NA	NA	NA	NA	NA	7.848
TCGA-CS-4941-01A	12.342	11.971	10.923	10.716	13.381	12.497	10.98	9.101	NA
TCGA-CS-4942-01A	10.402	10.031	NA	NA	12.111	11.226	8.848	NA	NA
TCGA-CS-4943-01A	10.384	10.012	12.092	11.886	15.294	14.409	9.828	NA	NA
TCGA-CS-4944-01A	12.561	12.189	11.507	11.301	13.607	12.722	7.763	NA	NA
TCGA-CS-5390-01A	11.29	10.918	11.677	11.47	13.551	12.666	9.15	NA	9.209
TCGA-CS-5393-01A	11.497	11.125	11.562	11.355	14.021	13.136	10.62	NA	NA
TCGA-CS-5394-01A	11.752	11.38	9.5556	9.3495	9.5556	8.6727	NA	NA	10.99
TCGA-CS-5395-01A	13.698	13.326	NA	NA	NA	NA	9.821	NA	8.882
TCGA-CS-5396-01A	10.428	10.056	11.814	11.93	12.622	11.737	9.872	NA	NA
TCGA-CS-5397-01A	8.5781	8.2073	7.1641	6.9592	8.48	7.5989	NA	NA	5.306
TCGA-CS-6186-01A	11.594	11.222	NA	NA	8.9835	8.1014	9.04	NA	NA
TCGA-CS-6188-01A	14.196	13.824	8.4784	8.2726	9.0621	8.5936	NA	NA	NA
TCGA-CS-6290-01A	11.336	10.964	NA	NA	10.986	10.102	6.884	7.998	NA
TCGA-CS-6666-01A	14.426	14.054	NA	NA	12.533	11.649	NA	NA	NA
TCGA-CS-6667-01A	14.992	14.62	NA	NA	12.54	11.656	9.898	NA	8.958
TCGA-CS-6668-01A	15.593	15.221	11.2	10.993	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-CS-6669-01A	9.9454	9.5738	NA	NA	11.069	10.185	7.809	NA	8.865
TCGA-CS-6670-01A	13.114	12.742	NA	NA	12.049	11.165	NA	NA	NA
TCGA-DB-5270-01A	11.714	11.342	10.102	9.8955	14.27	13.386	10.16	NA	NA
TCGA-DB-5273-01A	9.8428	9.4713	NA	NA	14.688	13.803	NA	NA	NA
TCGA-DB-5274-01A	15.865	15.493	10.166	9.96	14.413	13.528	10.81	NA	9.283
TCGA-DB-5275-01A	15.266	14.894	NA	NA	11.953	11.069	12.01	NA	NA
TCGA-DB-5277-01A	11.209	10.837	10.596	10.39	12.596	11.711	NA	NA	NA
TCGA-DB-5278-01A	16.296	15.924	NA	NA	11.246	10.362	10.3	NA	NA
TCGA-DB-5279-01A	15.647	15.275	NA	NA	9.7872	8.9041	8.845	NA	NA
TCGA-DB-5280-01A	NA	NA	10.68	10.474	13.68	12.795	NA	NA	NA
TCGA-DB-5281-01A	16.355	15.983	NA	NA	12.835	11.951	10.31	NA	10.37
TCGA-DB-A4X9-01A	13.595	13.223	9.983	9.7768	13.069	12.185	NA	NA	NA
TCGA-DB-A4XA-01A	13.769	13.397	11.069	10.863	12.876	11.992	9.128	NA	NA
TCGA-DB-A4XB-01A	15.38	15.008	NA	10.861	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DB-A4XC-01A	12.8	12.429	NA	NA	12.772	11.888	NA	NA	NA
TCGA-DB-A4XD-01A	14.965	14.593	10.652	10.446	11.652	10.768	9.71	NA	NA
TCGA-DB-A4XE-01A	15.31	14.938	11.79	11.584	15.249	14.365	9.848	NA	NA
TCGA-DB-A4XF-01A	15.072	14.7	12.186	11.98	15.06	14.176	NA	NA	NA
TCGA-DB-A4XG-01A	15.042	14.67	10.845	10.638	15.429	14.544	NA	NA	NA
TCGA-DB-A4XH-01A	12.583	12.212	13.633	13.427	16.385	15.501	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64L-01A	13.485	13.114	NA	NA	13.065	12.181	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64O-01A	12.246	11.875	NA	NA	10.634	9.7503	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64P-01A	13.424	13.052	NA	NA	12.489	11.605	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64Q-01A	13.735	13.363	NA	NA	11.315	10.431	10.37	NA	NA
TCGA-DB-A64R-01A	12.96	12.588	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64S-01A	18.055	17.683	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64U-01A	13.808	13.436	NA	NA	14.78	13.895	9.446	NA	NA
TCGA-DB-A64V-01A	16.626	16.254	12.621	12.415	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DB-A64W-01A	14.257	13.886	11.323	11.117	12.908	12.023	10.38	NA	NA
TCGA-DB-A64X-01A	13.491	13.119	11.071	10.865	12.071	11.187	10.13	NA	NA
TCGA-DB-A75K-01A	14.851	14.479	NA	NA	12.473	11.589	NA	NA	8.271
TCGA-DB-A75L-01A	17.068	16.696	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA

TCGA-DB-A75O-01A	15.135	14.763	8.7312	8.5253	12.188	11.303	NA	NA	NA
TCGA-DB-A75P-01A	13.752	13.38	NA	NA	12.955	12.07	NA	NA	NA
TCGA-DH-5140-01A	15.109	14.737	12.497	12.29	12.497	11.612	12.67	NA	NA
TCGA-DH-5141-01A	16.002	15.63	NA	NA	14.296	13.411	13.25	NA	NA
TCGA-DH-5142-01A	10.881	10.509	11.683	11.477	14.683	13.798	8.742	NA	NA
TCGA-DH-5143-01A	11.754	11.382	12.141	11.935	12.878	11.994	NA	9.734	NA
TCGA-DH-5144-01A	11.92	11.548	NA	NA	10.401	9.5174	10.63	8.581	8.519
TCGA-DH-A669-01A	15.097	14.725	8.746	8.5401	13.471	12.586	8.389	NA	NA
TCGA-DH-A66B-01A	14.835	14.463	11.316	11.109	14.315	13.431	NA	NA	NA
TCGA-DH-A66D-01A	14.026	13.654	NA	NA	15.041	14.156	10.01	NA	NA
TCGA-DH-A66F-01A	12.758	12.386	10.824	10.617	13.145	12.261	NA	NA	NA
TCGA-DH-A66G-01A	14.875	14.503	NA	NA	12.94	12.056	12	NA	NA
TCGA-DH-A7UR-01A	14.031	13.659	10.718	10.512	13.525	12.641	9.776	NA	9.835
TCGA-DH-A7US-01A	13.536	13.164	10.465	10.258	12.049	11.165	NA	NA	NA
TCGA-DH-A7UT-01A	14.416	14.044	10.281	10.075	14.28	13.395	10.34	NA	9.397
TCGA-DH-A7UU-01A	14.444	14.072	NA	NA	15.831	14.946	NA	NA	NA
TCGA-DH-A7UV-01A	13.026	12.654	NA	NA	13.501	12.616	10.06	NA	NA
TCGA-DU-5847-01A	14.72	14.348	9.2764	9.3917	9.2764	8.3938	NA	NA	NA
TCGA-DU-5849-01A	9.5972	9.2258	NA	NA	8.9853	8.1031	NA	7.169	7.108
TCGA-DU-5852-01A	12.941	12.569	5.6495	5.4475	7.2152	6.3389	NA	4.848	NA
TCGA-DU-5853-01A	15.533	15.161	9.655	9.4489	NA	NA	7.717	NA	7.775
TCGA-DU-5854-01A	11.66	11.288	6.5082	6.3042	8.9546	8.0726	4.609	NA	NA
TCGA-DU-5855-01A	11.495	11.124	NA	NA	12.158	11.274	NA	7.817	7.756
TCGA-DU-5870-01A	18.199	17.827	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-5871-01A	11.595	11.223	NA	NA	8.9846	8.1025	8.044	NA	7.108
TCGA-DU-5872-01A	11.338	10.967	NA	NA	9.5891	8.7062	8.647	7.45	8.706
TCGA-DU-5874-01A	9.8686	9.4971	7.7582	7.5528	8.7549	7.8732	6.242	6.94	5.319
TCGA-DU-6392-01A	9.4274	9.056	5.7518	5.5495	7.7316	6.8528	5.807	4.949	7.172
TCGA-DU-6393-01A	15.858	15.486	8.4937	8.2879	8.4937	7.6126	11.01	NA	11.69
TCGA-DU-6394-01A	8.7429	8.3719	7.9947	7.7891	7.2615	6.3849	4.777	4.893	7.115
TCGA-DU-6395-01A	11.677	11.305	NA	NA	9.329	8.4464	6.811	NA	6.87
TCGA-DU-6396-01A	11.473	11.102	NA	NA	11.745	10.861	NA	8.341	NA
TCGA-DU-6397-01A	9.9206	9.5491	7.4078	7.2026	7.4078	6.5304	NA	7.584	6.53
TCGA-DU-6399-01A	10.931	10.56	NA	NA	6.8707	5.9966	6.927	7.627	NA
TCGA-DU-6400-01A	11.502	11.13	NA	NA	9.0167	8.1345	9.488	6.621	9.132
TCGA-DU-6401-01A	11.841	11.469	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-6402-01A	9.7537	9.3822	10.988	10.781	10.403	9.6348	NA	7.005	5.956
TCGA-DU-6403-01A	9.6152	9.2438	8.1311	7.9254	9.8645	8.9812	NA	5.745	6.671
TCGA-DU-6404-01A	10.899	10.527	7.0484	6.8437	NA	NA	7.686	7.806	7.163
TCGA-DU-6405-01A	10.157	9.7851	NA	NA	8.4591	7.8985	5.543	7.227	5.601
TCGA-DU-6406-01A	9.8586	9.4871	7.7149	7.7712	9.4756	8.8267	7.771	7.379	NA
TCGA-DU-6407-01A	16.421	16.049	9.0292	8.8232	9.6133	8.7303	NA	7.213	NA
TCGA-DU-6408-01A	10.607	10.236	8.6752	8.4692	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-6410-01A	15.693	15.321	8.1078	8.6367	9.1052	8.2229	7.582	5.722	7.64
TCGA-DU-6542-01A	10.041	9.6693	NA	NA	9.4286	8.5459	8.487	8.607	NA
TCGA-DU-7006-01A	13.792	13.42	8.0453	8.8365	10.211	9.3274	7.688	NA	6.175
TCGA-DU-7007-01A	14.57	14.198	7.8444	8.6353	10.646	9.7626	NA	7.026	NA
TCGA-DU-7008-01A	10.575	10.204	NA	NA	NA	NA	8.437	NA	NA
TCGA-DU-7009-01A	11.248	10.876	NA	NA	13.094	12.209	NA	NA	NA
TCGA-DU-7010-01A	11.425	11.053	12.549	12.343	14.436	13.552	10.28	NA	NA
TCGA-DU-7012-01A	15.356	14.984	8.5371	8.3313	11.341	10.457	8.594	7.717	NA
TCGA-DU-7013-01A	15.917	15.546	NA	NA	9.2844	8.4019	NA	8.463	NA
TCGA-DU-7014-01A	11.59	11.218	NA	NA	12.562	11.678	8.231	7.355	7.294

TCGA-DU-7015-01A	13.963	13.591	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-7018-01A	8.8238	8.4528	11.208	11.324	12.667	11.783	NA	NA	NA
TCGA-DU-7019-01A	12.202	11.83	NA	NA	13.266	12.382	10.91	NA	NA
TCGA-DU-7290-01A	10.947	10.575	10.334	10.128	10.334	9.4507	8.808	NA	7.87
TCGA-DU-7292-01A	15.523	15.151	NA	NA	9.3578	8.4752	NA	NA	8.475
TCGA-DU-7294-01A	15.509	15.137	10.027	9.8212	11.834	10.95	9.085	NA	NA
TCGA-DU-7298-01A	15.137	14.765	NA	NA	12.592	11.707	9.775	8.313	NA
TCGA-DU-7299-01A	10.573	10.201	7.9644	8.7555	9.5455	8.6626	NA	8.141	NA
TCGA-DU-7300-01A	10.859	10.487	9.925	9.7187	12.094	11.209	9.567	NA	NA
TCGA-DU-7301-01A	9.9544	9.5829	NA	8.1387	10.341	9.4575	8.401	NA	NA
TCGA-DU-7302-01A	14.805	14.433	9.6089	9.4028	14.308	13.423	NA	NA	NA
TCGA-DU-7304-01A	10.36	9.9882	9.426	9.2198	11.232	10.348	7.488	7.608	NA
TCGA-DU-7306-01A	13.707	13.335	NA	NA	9.7842	8.901	NA	NA	NA
TCGA-DU-7309-01A	15.72	15.348	NA	NA	12.522	11.638	NA	NA	NA
TCGA-DU-8158-01A	9.1398	8.7686	NA	7.3268	11.11	10.226	7.588	NA	NA
TCGA-DU-8161-01A	9.9295	9.558	8.3196	8.1138	11.316	10.432	NA	NA	NA
TCGA-DU-8162-01A	15.664	15.292	9.2209	10.013	13.026	12.142	NA	NA	8.338
TCGA-DU-8163-01A	15.051	14.679	NA	NA	12.718	11.834	7.694	NA	NA
TCGA-DU-8164-01A	16.394	16.022	8.9443	8.7383	10.527	9.6436	8.004	8.123	NA
TCGA-DU-8165-01A	14.779	14.407	8.5554	8.3495	11.289	10.542	NA	NA	6.103
TCGA-DU-8166-01A	10.666	10.294	NA	NA	9.7321	8.849	8.376	7.913	NA
TCGA-DU-8167-01A	15.031	14.659	6.9828	6.7781	12.181	11.297	7.039	NA	NA
TCGA-DU-8168-01A	15.479	15.107	10.167	10.545	11.751	10.867	9.809	NA	9.284
TCGA-DU-A5TP-01A	13.362	12.99	10.106	9.9002	12.629	11.745	NA	NA	NA
TCGA-DU-A5TR-01A	11.349	10.978	NA	NA	13.151	12.267	NA	NA	NA
TCGA-DU-A5TS-01A	16.911	16.539	14.976	14.769	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-A5TT-01A	12.848	12.476	10.651	10.444	14.82	13.935	NA	NA	NA
TCGA-DU-A5TU-01A	12.782	12.41	12.17	11.963	12.17	11.285	NA	NA	NA
TCGA-DU-A5TW-01A	12.782	12.41	NA	NA	15.24	14.355	NA	NA	NA
TCGA-DU-A5TY-01A	12.711	12.339	12.291	12.085	14.291	13.406	NA	NA	NA
TCGA-DU-A6S2-01A	14.294	13.922	NA	NA	14.096	13.212	10.57	NA	NA
TCGA-DU-A6S3-01A	15.153	14.781	9.5537	9.3475	12.459	11.575	8.612	NA	8.671
TCGA-DU-A6S6-01A	15.597	15.225	10.756	10.55	NA	NA	11.62	NA	10.87
TCGA-DU-A6S7-01A	15.264	14.892	NA	NA	12.442	11.557	NA	NA	NA
TCGA-DU-A6S8-01A	13.961	13.589	9.7057	9.4995	13.874	12.99	NA	NA	8.823
TCGA-DU-A76K-01A	14.821	14.449	NA	NA	10.624	9.7403	NA	NA	9.74
TCGA-DU-A76L-01A	14.913	14.541	11.104	10.898	12.519	11.634	NA	NA	8.638
TCGA-DU-A76O-01A	16.891	16.519	13.717	13.511	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-A76R-01A	15.047	14.675	NA	NA	11.225	10.341	NA	NA	9.342
TCGA-DU-A7T6-01A	15.329	14.957	NA	NA	12.073	11.188	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7T8-01A	14.328	13.957	10.716	10.51	13.038	12.153	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7TA-01A	15.167	14.795	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7TB-01A	13.491	13.119	NA	NA	12.293	11.409	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7TC-01A	16.224	15.852	NA	12.704	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7TD-01A	13.838	13.466	9.3939	9.1878	10.715	9.8308	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7TG-01A	13.367	12.995	NA	NA	13.206	12.322	NA	NA	10.21
TCGA-DU-A7TI-01A	15.222	14.85	10.025	9.8192	12.024	11.14	NA	NA	NA
TCGA-DU-A7TJ-01A	16.446	16.074	NA	NA	11.279	10.395	NA	NA	NA
TCGA-E1-5302-01A	14.71	14.338	13.512	13.305	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-E1-5303-01A	11.139	10.767	11.356	11.32	15.464	14.58	NA	NA	NA
TCGA-E1-5304-01A	14.006	13.635	9.81	9.6038	15.13	14.246	8.868	NA	NA
TCGA-E1-5305-01A	11.556	11.184	NA	NA	10.721	9.8374	9.194	NA	NA
TCGA-E1-5307-01A	13.956	13.585	NA	NA	10.537	9.6533	NA	NA	NA

TCGA-E1-5311-01A	12.624	12.252	NA	NA	10.427	9.5429	11.07	9.604	9.543
TCGA-E1-5318-01A	13.633	13.261	NA	NA	13.02	12.136	13.08	NA	NA
TCGA-E1-5319-01A	14.73	14.358	NA	NA	13.03	12.146	NA	9.209	NA
TCGA-E1-5322-01A	14.001	13.629	NA	NA	12.71	11.825	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YD-01A	12.948	12.576	7.1163	6.9114	8.1111	7.231	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YE-01A	16.105	15.733	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YH-01A	15.983	15.611	10.727	10.52	12.726	11.842	9.784	NA	NA
TCGA-E1-A7YI-01A	15.673	15.301	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YJ-01A	13.051	12.679	NA	11.232	13.023	12.139	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YK-01A	13.837	13.466	10.766	10.559	15.157	14.273	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YL-01A	13.322	12.95	11.387	12.18	13.387	12.502	NA	10.56	NA
TCGA-E1-A7YM-01A	14.72	14.348	9.4655	9.2593	14.593	13.708	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YN-01A	13.083	12.711	NA	NA	11.77	10.886	7.251	NA	8.305
TCGA-E1-A7YO-01A	16.52	16.148	10.4	10.194	13.858	12.974	NA	NA	9.516
TCGA-E1-A7YQ-01A	12.759	12.387	9.6239	9.4177	13.48	12.596	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YS-01A	16.197	15.825	11.912	11.706	13.719	12.835	9.97	NA	NA
TCGA-E1-A7YU-01A	13.007	12.635	11.658	11.451	11.658	10.773	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YV-01A	14.157	13.785	NA	NA	12.606	11.722	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YW-01A	14.747	14.375	NA	NA	12.075	11.191	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7YY-01A	15.301	14.929	11.519	11.313	13.104	12.219	11.58	NA	10.63
TCGA-E1-A7Z2-01A	15.863	15.491	NA	NA	NA	NA	NA	NA	10.2
TCGA-E1-A7Z3-01A	14.413	14.041	NA	NA	12.479	11.594	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7Z4-01A	12.772	12.4	NA	NA	11.574	10.69	NA	NA	NA
TCGA-E1-A7Z6-01A	14.61	14.238	NA	NA	11.91	11.026	NA	NA	NA
TCGA-EZ-7264-01A	8.8864	8.5153	NA	NA	10.272	9.388	8.331	NA	NA
TCGA-F6-A8O3-01A	14.921	14.549	NA	NA	9.2661	8.3836	NA	NA	NA
TCGA-F6-A8O4-01A	11.237	10.866	7.875	7.6695	6.8812	6.007	NA	NA	NA
TCGA-FG-5962-01B	10.88	10.508	NA	NA	9.0985	8.2162	NA	NA	8.8
TCGA-FG-5963-01A	14.294	13.922	4.9681	4.7688	7.9272	7.5042	8.304	5.14	5.651
TCGA-FG-5964-01A	15.291	14.919	NA	NA	NA	NA	NA	NA	8.819
TCGA-FG-5965-01B	16.028	15.657	NA	NA	8.9427	8.0607	8.999	NA	8.061
TCGA-FG-6688-01A	8.249	7.8785	NA	NA	9.6331	8.7501	NA	NA	NA
TCGA-FG-6689-01A	10.446	10.074	10.418	10.211	9.8332	8.9501	8.891	NA	NA
TCGA-FG-6690-01A	10.737	10.366	NA	NA	NA	NA	9.183	NA	9.241
TCGA-FG-6691-01A	10.075	9.703	9.8768	10.67	12.046	11.161	7.938	NA	NA
TCGA-FG-6692-01A	10.062	9.6906	8.4519	8.8295	9.0355	8.1533	8.829	NA	6.578
TCGA-FG-7634-01A	7.7285	7.3585	NA	NA	8.1139	7.2338	NA	NA	NA
TCGA-FG-7636-01A	15.466	15.094	9.4623	9.2561	11.783	10.898	8.521	NA	NA
TCGA-FG-7637-01A	16.147	15.775	NA	NA	13.693	12.808	NA	NA	NA
TCGA-FG-7638-01B	10.251	9.8793	NA	NA	9.0545	8.1723	NA	NA	NA
TCGA-FG-7641-01B	10.612	10.241	NA	NA	8.6799	7.7984	NA	NA	7.798
TCGA-FG-7643-01A	15.297	14.925	NA	NA	12.225	11.341	9.283	NA	NA
TCGA-FG-8181-01A	10.044	9.6721	8.2641	8.0584	10.068	9.1847	7.325	NA	7.384
TCGA-FG-8182-01A	10.542	10.17	10.665	10.459	11.343	10.459	NA	NA	7.466
TCGA-FG-8185-01A	11.019	10.647	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-FG-8186-01A	8.491	8.1202	7.8801	7.6746	8.877	7.9951	NA	NA	NA
TCGA-FG-8187-01A	10.317	9.9454	8.1231	7.9175	11.288	10.404	7.184	NA	NA
TCGA-FG-8188-01A	15.821	15.449	9.9802	9.774	10.98	10.096	NA	8.161	NA
TCGA-FG-8189-01B	11.922	11.55	13.309	13.102	13.894	13.009	NA	NA	NA
TCGA-FG-8191-01A	8.9664	8.5952	9.3527	9.8825	10.352	9.468	NA	7.948	NA
TCGA-FG-A4MU-01B	13.718	13.346	11.427	11.221	11.105	10.221	NA	NA	NA
TCGA-FG-A4MW-01A	13.792	13.42	10.957	10.751	13.693	12.809	NA	NA	8.491
TCGA-FG-A4MX-01A	13.599	13.227	9.5953	9.3892	15.559	14.675	NA	NA	NA

TCGA-FG-A4MY-01A	14.222	13.85	12.439	12.233	16.024	15.139	NA	NA	NA
TCGA-FG-A60J-01A	15.269	14.897	NA	NA	13.112	12.227	9.585	NA	9.644
TCGA-FG-A60K-01A	13.67	13.298	NA	NA	12.182	11.298	NA	NA	NA
TCGA-FG-A60L-01A	13.825	13.453	NA	NA	14.424	13.539	NA	NA	NA
TCGA-FG-A6IZ-01A	13.542	13.17	10.708	10.501	11.122	10.238	8.183	NA	NA
TCGA-FG-A6J1-01A	13.277	12.906	NA	NA	14.13	13.246	NA	NA	8.392
TCGA-FG-A6J3-01A	12.899	12.527	9.2012	9.9937	11.521	10.637	NA	NA	NA
TCGA-FG-A70Y-01A	16.249	15.877	NA	NA	12.408	11.523	11.46	NA	NA
TCGA-FG-A70Z-01A	15.336	14.964	9.7025	9.4963	10.702	9.8179	NA	NA	NA
TCGA-FG-A710-01A	15.286	14.914	10.182	9.9757	10.182	9.2985	NA	NA	NA
TCGA-FG-A711-01A	15.644	15.272	NA	NA	11.173	10.289	10.23	NA	NA
TCGA-FG-A713-01A	15.055	14.683	NA	NA	13.725	12.841	NA	10.1	NA
TCGA-FG-A87N-01A	16.079	15.707	NA	NA	10.338	9.4544	10.39	NA	NA
TCGA-FG-A87Q-01A	14.479	14.107	9.9603	9.754	11.959	11.075	NA	NA	NA
TCGA-FN-7833-01A	16.077	15.705	8.9912	8.7852	8.9912	8.1091	NA	8.17	NA
TCGA-HT-7467-01A	13.879	13.507	11.588	11.382	12.725	11.841	9.324	NA	8.385
TCGA-HT-7468-01A	9.1348	8.7636	NA	NA	10.106	9.2221	NA	NA	NA
TCGA-HT-7469-01A	15.25	14.878	NA	NA	8.8583	7.9764	10.72	NA	7.976
TCGA-HT-7470-01A	15.694	15.322	NA	NA	11.159	10.275	8.633	NA	NA
TCGA-HT-7471-01A	16.203	15.831	NA	NA	11.029	10.145	8.09	NA	NA
TCGA-HT-7472-01A	11.81	11.438	9.8759	9.6697	10.875	9.9913	8.934	NA	NA
TCGA-HT-7473-01A	14.742	14.37	NA	NA	9.3761	8.4934	10.43	NA	NA
TCGA-HT-7474-01A	10.778	10.406	NA	NA	10.58	9.6965	8.639	NA	NA
TCGA-HT-7475-01A	12.773	12.401	NA	NA	10.353	9.4698	10.87	NA	11.28
TCGA-HT-7476-01A	15.498	15.126	10.176	9.97	12.497	11.613	10.82	NA	12.1
TCGA-HT-7477-01B	12.981	12.609	NA	NA	12.046	11.162	NA	NA	NA
TCGA-HT-7478-01A	11.054	10.682	NA	NA	12.44	11.556	NA	NA	NA
TCGA-HT-7479-01A	13.875	13.503	10.356	10.15	12.814	11.93	8.416	NA	NA
TCGA-HT-7480-01A	17.501	17.129	12.397	12.19	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HT-7481-01A	14.347	13.975	10.565	10.359	14.319	13.435	8.624	NA	8.683
TCGA-HT-7482-01A	11.612	11.24	NA	NA	10.263	9.3792	9.735	NA	NA
TCGA-HT-7483-01A	11.455	11.083	NA	NA	10.62	9.7359	9.677	NA	8.154
TCGA-HT-7485-01A	15.395	15.023	9.4444	10.237	10.443	9.5597	8.503	NA	8.562
TCGA-HT-7601-01A	15.715	15.343	10.984	11.1	13.739	12.854	NA	NA	NA
TCGA-HT-7602-01A	9.1229	8.7517	NA	NA	12.093	11.208	NA	NA	NA
TCGA-HT-7603-01A	16.175	15.803	NA	NA	11.289	10.405	NA	9.882	9.821
TCGA-HT-7604-01A	10.494	10.122	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HT-7605-01A	16.3	15.928	9.0599	9.8523	9.0599	8.1777	8.119	8.239	9.175
TCGA-HT-7606-01A	9.3174	8.9461	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HT-7607-01A	10.706	10.334	NA	NA	9.509	8.6261	NA	NA	NA
TCGA-HT-7608-01A	9.9821	9.6105	NA	NA	10.369	9.4852	NA	NA	NA
TCGA-HT-7609-01A	10.134	9.7628	8.9381	8.7321	10.521	9.6374	NA	NA	NA
TCGA-HT-7610-01A	15.066	14.694	9.3677	9.1616	11.688	10.804	8.426	NA	9.483
TCGA-HT-7611-01A	15.065	14.693	9.3247	9.1186	12.782	11.898	9.381	NA	NA
TCGA-HT-7616-01A	8.845	8.474	6.6583	6.454	10.452	9.5687	7.707	NA	NA
TCGA-HT-7620-01A	11.36	10.988	8.051	7.8454	8.051	7.1711	9.105	NA	NA
TCGA-HT-7676-01A	11.15	10.778	NA	NA	9.337	8.4544	9.772	NA	6.149
TCGA-HT-7677-01A	16.565	16.193	NA	NA	8.9273	8.0453	10.79	NA	8.045
TCGA-HT-7680-01A	14.135	13.764	9.3414	9.1353	10.755	9.8712	7.817	NA	NA
TCGA-HT-7681-01A	10.902	10.531	9.9683	9.762	13.137	12.253	9.026	NA	8.088
TCGA-HT-7684-01A	9.7395	9.368	NA	8.3379	10.541	9.6571	NA	NA	NA
TCGA-HT-7686-01A	11.143	10.771	9.6567	9.865	13.355	12.471	8.715	NA	NA
TCGA-HT-7687-01A	9.1537	8.7825	9.5401	9.6555	11.626	10.742	NA	NA	7.661

TCGA-HT-7688-01A	16.106	15.734	10.295	10.089	11.616	10.732	8.355	NA	9.411
TCGA-HT-7689-01A	10.818	10.446	8.2093	8.0036	9.791	8.9079	8.266	NA	NA
TCGA-HT-7690-01A	11.152	10.781	NA	NA	8.0847	7.2047	8.724	NA	NA
TCGA-HT-7691-01A	10.437	10.066	8.5053	8.2994	9.0889	8.2066	9.56	NA	NA
TCGA-HT-7692-01A	14.831	14.459	NA	NA	11.089	10.205	7.568	NA	NA
TCGA-HT-7693-01A	15.058	14.686	NA	NA	10.861	9.977	8.599	NA	7.661
TCGA-HT-7694-01A	14.665	14.293	7.7189	7.5135	9.2993	8.4167	7.775	NA	9.415
TCGA-HT-7695-01A	15.762	15.39	9.1073	8.9012	12.427	11.543	8.166	NA	10.22
TCGA-HT-7854-01A	15.887	15.515	9.1788	8.9728	11.762	10.878	8.238	NA	9.878
TCGA-HT-7855-01A	15.092	14.72	NA	NA	13.374	12.49	9.112	NA	NA
TCGA-HT-7856-01A	11.374	11.002	7.7669	7.5615	11.346	10.462	8.82	NA	7.882
TCGA-HT-7857-01A	12.42	12.048	9.6196	9.9103	12.16	11.29	4.646	NA	NA
TCGA-HT-7858-01A	9.3973	9.026	NA	6.2726	10.047	9.1633	NA	NA	5.606
TCGA-HT-7860-01A	15.752	15.38	9.6328	9.4267	8.6346	7.7532	NA	8.811	7.753
TCGA-HT-7873-01B	14.955	14.583	NA	8.7635	NA	NA	11.02	NA	9.085
TCGA-HT-7874-01A	11.603	11.231	9.9907	9.7844	11.312	10.428	NA	NA	9.107
TCGA-HT-7875-01A	16.615	16.243	9.3464	9.1403	10.93	10.046	NA	NA	NA
TCGA-HT-7877-01A	15.542	15.17	NA	NA	11.305	10.421	9.778	NA	10.42
TCGA-HT-7879-01A	15.707	15.335	8.4044	8.1986	8.4044	7.5234	11.04	NA	7.523
TCGA-HT-7880-01A	15.516	15.144	NA	NA	11.788	10.904	11.13	NA	10.73
TCGA-HT-7881-01A	11.47	11.098	NA	7.6575	9.8583	8.9751	9.5	NA	7.978
TCGA-HT-7882-01A	15.964	15.592	NA	10.907	9.1152	8.2329	10.49	NA	NA
TCGA-HT-7884-01B	14.591	14.219	NA	NA	8.8516	7.9697	11.71	NA	7.97
TCGA-HT-7902-01A	10.689	10.317	8.9622	8.7562	10.545	9.6616	8.021	NA	6.506
TCGA-HT-8010-01A	15.327	14.955	9.4493	9.2432	11.77	10.885	NA	NA	9.565
TCGA-HT-8011-01A	15.456	15.085	11.181	11.39	9.5974	8.7144	NA	NA	NA
TCGA-HT-8012-01A	16.473	16.101	9.1898	8.9837	12.358	11.473	9.83	NA	8.307
TCGA-HT-8013-01A	11.238	10.867	NA	NA	11.532	10.648	8.271	NA	NA
TCGA-HT-8015-01B	13.897	13.525	NA	NA	15.073	14.188	NA	NA	NA
TCGA-HT-8018-01A	9.54	9.1686	8.514	8.7221	10.511	9.6274	NA	NA	6.062
TCGA-HT-8019-01A	14.987	14.615	NA	9.4413	12.346	11.462	7.709	NA	11.76
TCGA-HT-8104-01A	14.163	13.791	10.743	10.537	10.743	9.8595	10.8	8.922	8.861
TCGA-HT-8105-01A	10.333	9.9615	NA	NA	11.135	10.251	NA	NA	9.252
TCGA-HT-8107-01A	12.234	11.862	8.9235	8.7175	11.243	10.359	9.979	NA	10.84
TCGA-HT-8108-01A	15.406	15.034	8.4658	9.2576	11.047	10.163	11.1	NA	7.585
TCGA-HT-8109-01A	16.191	15.819	NA	NA	10.636	9.7525	9.694	NA	10.56
TCGA-HT-8110-01A	12.647	12.275	6.0555	5.8524	7.0447	6.1694	NA	NA	NA
TCGA-HT-8111-01A	11.05	10.678	NA	6.8502	9.853	8.9698	8.911	NA	7.17
TCGA-HT-8113-01A	10.853	10.482	8.9206	8.7146	11.918	11.034	NA	NA	9.62
TCGA-HT-8114-01A	15.842	15.47	9.9085	9.7023	12.229	11.345	11.55	NA	NA
TCGA-HT-8558-01A	10.776	10.405	NA	NA	NA	NA	7.641	NA	8.697
TCGA-HT-8563-01A	13.505	13.133	9.3227	9.4057	12.034	11.149	8.381	NA	7.857
TCGA-HT-8564-01A	10.43	10.058	NA	NA	8.7038	7.8222	8.177	NA	7.24
TCGA-HT-A4DS-01A	14.298	13.926	NA	NA	11.948	11.064	10.42	NA	NA
TCGA-HT-A4DV-01A	14.143	13.771	8.9482	8.7422	13.193	12.309	NA	NA	NA
TCGA-HT-A5R5-01A	14.288	13.917	NA	NA	12.506	11.621	8.98	NA	NA
TCGA-HT-A5R7-01A	13.922	13.55	11.724	11.518	13.531	12.647	NA	NA	11.42
TCGA-HT-A5R9-01A	12.608	12.236	12.995	12.788	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HT-A5RA-01A	13.347	12.975	10.413	10.207	11.412	10.528	9.471	NA	NA
TCGA-HT-A5RB-01A	13.63	13.258	NA	NA	13.21	12.325	NA	NA	NA
TCGA-HT-A5RC-01A	13.238	12.866	11.626	11.419	13.947	13.063	NA	NA	NA
TCGA-HT-A614-01A	15.678	15.306	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HT-A615-01A	13.197	12.825	11	10.793	NA	NA	10.06	NA	NA

TCGA-HT-A616-01A	12.999	12.627	13.386	13.179	14.971	14.086	NA	NA	NA
TCGA-HT-A617-01A	12.646	12.274	NA	NA	14.518	13.634	9.769	NA	NA
TCGA-HT-A618-01A	11.392	11.021	9.4589	9.2528	11.779	10.895	8.517	NA	NA
TCGA-HT-A619-01A	14.306	13.934	NA	NA	11.787	10.903	10.84	NA	10.9
TCGA-HT-A61A-01A	12.648	12.277	NA	NA	13.62	12.736	NA	NA	11.74
TCGA-HT-A61B-01A	12.225	11.853	NA	NA	13.612	12.727	8.864	NA	NA
TCGA-HT-A61C-01A	14.035	13.663	12.007	12.215	13.229	12.345	NA	NA	NA
TCGA-HT-A74H-01A	14.567	14.195	10.049	9.8424	10.049	9.1653	9.107	NA	NA
TCGA-HT-A74K-01A	15.275	14.903	10.171	9.9648	14.418	13.533	9.229	NA	9.288
TCGA-HT-A74L-01A	15.462	15.09	NA	NA	10.873	9.989	NA	NA	NA
TCGA-HT-A74O-01A	14.868	14.496	NA	NA	14.151	13.267	9.887	NA	NA
TCGA-HW-7486-01A	10.867	10.495	8.9341	9.4637	11.517	10.633	7.411	6.539	6.478
TCGA-HW-7487-01A	12.204	11.832	NA	NA	NA	NA	11.33	NA	NA
TCGA-HW-7489-01A	14.172	13.8	10.036	9.8302	11.036	10.152	9.094	NA	9.153
TCGA-HW-7490-01A	13.784	13.412	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HW-7491-01A	7.7406	7.3706	NA	NA	10.444	9.5602	NA	NA	NA
TCGA-HW-7493-01A	14.541	14.169	8.4242	8.2184	10.421	9.859	NA	NA	NA
TCGA-HW-7495-01A	9.6875	9.3161	NA	NA	9.0755	8.1932	8.135	NA	NA
TCGA-HW-8319-01A	14.938	14.566	NA	NA	10.607	9.7231	11.08	NA	9.723
TCGA-HW-8320-01A	10.483	10.111	NA	NA	NA	NA	NA	6.888	NA
TCGA-HW-8321-01A	16.349	15.977	NA	8.6085	11.397	10.513	8.871	NA	7.933
TCGA-HW-8322-01A	10.132	9.7607	7.939	8.73	10.934	10.05	8.578	NA	8.054
TCGA-HW-A5KJ-01A	12.82	12.448	9.886	9.6798	15.344	14.459	9.943	NA	NA
TCGA-HW-A5KK-01A	13.891	13.519	11.279	11.072	15.366	14.481	NA	NA	NA
TCGA-HW-A5KL-01A	14.573	14.201	12.79	12.806	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-HW-A5KM-01A	14.04	13.668	11.956	11.749	16.502	15.617	NA	NA	NA
TCGA-IK-7675-01A	10.679	10.307	8.7465	8.5405	8.7465	7.8648	9.801	NA	NA
TCGA-IK-8125-01A	10.291	9.919	8.68	8.4741	9.6783	8.7953	7.74	NA	NA
TCGA-KT-A74X-01A	14.943	14.571	10.687	10.481	11.102	10.218	11.16	NA	NA
TCGA-KT-A7W1-01A	14.4	14.028	13.929	13.81	13.836	12.952	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5ET-01A	14.18	13.808	11.508	11.302	14.567	13.682	8.982	NA	9.041
TCGA-P5-A5EU-01A	13.672	13.3	11.557	11.351	15.557	14.672	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5EV-01A	14.299	13.927	11.317	11.333	14.776	13.892	7.795	NA	NA
TCGA-P5-A5EW-01A	13.547	13.175	NA	NA	14.403	13.519	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5EX-01A	12.786	12.414	9.0602	8.8541	12.058	11.174	NA	NA	6.603
TCGA-P5-A5EY-01A	12.96	12.588	9.8892	9.6829	16.154	15.27	8.947	NA	9.006
TCGA-P5-A5EZ-01A	11.582	11.21	11.121	10.915	14.753	13.869	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5F0-01A	14.397	14.025	11.562	11.355	13.677	12.792	9.036	NA	10.09
TCGA-P5-A5F1-01A	17.272	16.9	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5F2-01A	12.645	12.273	NA	NA	14.032	13.148	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5F4-01A	16.826	16.454	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-P5-A5F6-01A	10.556	10.184	11.205	10.999	11.62	10.906	NA	NA	NA
TCGA-P5-A72U-01A	14.601	14.229	10.902	10.695	NA	NA	9.959	NA	NA
TCGA-P5-A72W-01A	13.6	13.228	NA	NA	12.987	12.103	8.463	NA	NA
TCGA-P5-A72X-01A	15.351	14.979	NA	NA	11.057	10.173	8.532	NA	10.17
TCGA-P5-A72Z-01A	15.385	15.013	NA	NA	10.729	9.8449	9.786	NA	NA
TCGA-P5-A730-01A	15.568	15.196	NA	NA	13.613	12.728	9.863	NA	8.924
TCGA-P5-A731-01A	13.999	13.627	10.579	11.373	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-P5-A733-01A	15.824	15.452	8.7303	8.5243	10.728	9.8439	NA	NA	NA
TCGA-P5-A735-01A	17.629	17.257	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-P5-A736-01A	14.267	13.895	NA	NA	12.484	11.6	10.54	NA	11.6
TCGA-P5-A737-01A	12.163	11.791	8.7459	8.54	12.743	11.858	NA	NA	NA
TCGA-P5-A77W-01A	15.386	15.014	NA	NA	12.826	11.941	10.4	NA	9.136

TCGA-P5-A77X-01A	14.721	14.349	11.234	11.028	13.556	12.672	9.707	NA	10.35
TCGA-P5-A780-01A	15.259	14.887	NA	9.7406	14.945	14.061	9.005	NA	9.063
TCGA-P5-A781-01A	14.791	14.419	11.534	11.328	13.704	12.82	9.592	NA	NA
TCGA-QH-A65R-01A	13.786	13.414	11.851	11.645	14.253	13.369	NA	NA	NA
TCGA-QH-A65S-01A	13.577	13.205	NA	NA	13.812	12.927	NA	NA	NA
TCGA-QH-A65V-01A	14.749	14.377	NA	NA	14.037	13.152	NA	NA	NA
TCGA-QH-A65X-01A	16.914	16.542	NA	NA	12.842	11.958	9.316	NA	9.375
TCGA-QH-A65Z-01A	13.698	13.326	NA	NA	14.223	13.338	9.821	NA	NA
TCGA-QH-A6CS-01A	14.237	13.865	12.039	11.833	15.498	14.614	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6CU-01A	14.551	14.179	11.238	11.616	11.238	10.354	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6CV-01A	13.67	13.298	11.969	11.763	15.014	14.129	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6CX-01A	12.877	12.505	7.5436	7.3383	10.859	9.9747	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6CY-01A	14.296	13.924	NA	NA	12.277	11.393	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6CZ-01A	18.387	18.016	12.527	12.32	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6X3-01A	16.509	16.137	NA	8.9709	10.76	9.8765	NA	8.356	NA
TCGA-QH-A6X4-01A	17.048	16.676	11.188	10.981	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6X5-01A	14.34	13.968	10.955	11.164	12.37	11.486	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6X8-01A	15.838	15.466	10.295	10.089	12.294	11.41	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6X9-01A	14.093	13.721	10.574	10.367	12.573	11.689	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6XA-01A	14.486	14.114	NA	NA	10.873	9.9895	NA	NA	NA
TCGA-QH-A6XC-01A	15.258	14.886	9.5384	9.3323	12.707	11.822	NA	NA	NA
TCGA-QH-A86X-01A	15.222	14.85	9.2535	9.0474	9.2535	8.371	NA	NA	NA
TCGA-QH-A870-01A	15.565	15.193	NA	NA	10.239	9.3558	NA	NA	8.358
TCGA-R8-A6MK-01A	15.505	15.133	10.192	9.9862	11.192	10.308	NA	NA	NA
TCGA-R8-A6ML-01A	15.649	15.277	NA	NA	10.545	9.6613	NA	NA	9.661
TCGA-R8-A6MO-01A	16.139	15.767	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-R8-A6YH-01A	15.578	15.206	NA	NA	11.011	10.127	NA	NA	NA
TCGA-R8-A73M-01A	15.399	15.028	NA	NA	11.202	10.318	NA	9.381	NA
TCGA-RY-A83X-01A	16.005	15.633	NA	10.017	NA	NA	9.281	NA	10.34
TCGA-RY-A83Y-01A	14.617	14.245	NA	NA	9.6311	8.7481	9.273	NA	7.751
TCGA-RY-A83Z-01A	15.821	15.449	NA	NA	11.609	10.725	11.25	NA	9.726
TCGA-RY-A840-01A	15.943	15.571	NA	NA	11.63	10.746	NA	NA	8.165
TCGA-RY-A843-01A	16.661	16.289	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-RY-A845-01A	14.909	14.537	NA	NA	10.542	9.6582	9.599	NA	NA
TCGA-RY-A847-01A	10.556	10.184	7.7782	7.8346	9.4518	8.569	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6TS-01A	16.928	16.556	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6TU-01A	14.045	13.673	10.389	10.182	13.973	13.088	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6TV-01A	15.484	15.112	NA	NA	10.989	10.105	10.63	NA	NA
TCGA-S9-A6TW-01A	15.377	15.005	NA	NA	12.35	11.465	11.14	NA	NA
TCGA-S9-A6TX-01A	15.528	15.156	10.425	10.218	13.424	12.539	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6TY-01A	15.167	14.795	NA	NA	12.467	11.583	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6TZ-01A	15.153	14.781	NA	NA	12.84	11.955	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U0-01A	14.277	13.905	11.416	11.532	12.875	11.991	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U1-01A	18.121	17.749	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U2-01A	16.044	15.672	NA	NA	10.788	9.9045	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U5-01A	18.602	18.23	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U6-01A	14.558	14.186	NA	NA	12.576	11.691	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U8-01A	15.341	14.969	NA	NA	12.028	11.144	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6U9-01A	15.263	14.891	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6UA-01A	13.538	13.166	NA	NA	14.588	13.703	9.399	NA	9.457
TCGA-S9-A6UB-01A	16.237	15.865	11.303	11.096	11.303	10.419	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6WD-01A	15.145	14.773	10.626	10.419	13.21	12.326	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6WE-01A	14.715	14.343	NA	NA	13.365	12.481	NA	NA	NA



TCGA-S9-A6WG-01A	13.974	13.602	NA	NA	11.859	10.974	9.332	NA	NA
TCGA-S9-A6WH-01A	15.595	15.223	NA	NA	11.523	10.639	NA	NA	10.64
TCGA-S9-A6WI-01A	14.88	14.508	NA	NA	13.228	12.344	NA	NA	9.176
TCGA-S9-A6WL-01A	14.032	13.66	11.42	11.213	15.12	14.235	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6WM-01A	15.62	15.248	NA	10.894	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6WN-01A	12.972	12.6	10.553	10.346	9.5537	8.6708	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6WO-01A	12.923	12.551	NA	NA	13.75	12.866	8.563	NA	NA
TCGA-S9-A6WP-01A	15.054	14.682	NA	NA	14.257	13.372	NA	NA	NA
TCGA-S9-A6WQ-01A	14.948	14.576	10.978	10.772	14.785	13.9	9.037	NA	NA
TCGA-S9-A7IQ-01A	16.023	15.651	11.323	11.116	12.907	12.023	NA	NA	NA
TCGA-S9-A7IS-01A	16.727	16.355	NA	NA	12.084	11.2	9.558	NA	NA
TCGA-S9-A7IX-01A	14.912	14.54	13.051	12.845	15.695	14.811	NA	NA	8.585
TCGA-S9-A7IY-01A	15.414	15.042	NA	NA	14.399	13.514	9.65	NA	NA
TCGA-S9-A7IZ-01A	15.572	15.201	12.712	12.505	14.034	13.149	NA	NA	NA
TCGA-S9-A7J0-01A	15.044	14.672	NA	NA	12.062	11.178	9.535	NA	NA
TCGA-S9-A7J1-01A	15.786	15.414	NA	NA	12.267	11.382	NA	NA	NA
TCGA-S9-A7J2-01A	15.928	15.556	NA	NA	13.882	12.998	NA	NA	9.677
TCGA-S9-A7J3-01A	16.089	15.717	14.061	13.855	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A7QW-01A	16.686	16.314	NA	NA	NA	NA	11.37	NA	NA
TCGA-S9-A7QX-01A	18.498	18.126	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-S9-A7QY-01A	16.575	16.203	11.105	10.898	11.105	10.221	11.16	NA	NA
TCGA-S9-A7QZ-01A	15.28	14.908	9.3836	9.1775	13.469	12.585	10.02	NA	11.08
TCGA-S9-A7R1-01A	16.059	15.687	11.692	11.485	14.013	13.129	NA	NA	NA
TCGA-S9-A7R2-01A	13.339	12.967	NA	NA	12.938	12.053	8.539	NA	NA
TCGA-S9-A7R3-01A	14.816	14.444	NA	NA	12.68	11.795	8.739	NA	NA
TCGA-S9-A7R4-01A	13.213	12.841	9.5147	9.3086	14.557	13.673	NA	NA	9.63
TCGA-S9-A7R7-01A	14.87	14.498	10.351	12.728	17.183	16.298	NA	NA	9.467
TCGA-S9-A7R8-01A	14.164	13.792	NA	NA	14.21	13.326	NA	NA	NA
TCGA-S9-A89V-01A	13.069	12.697	10.896	10.689	12.217	11.333	6.644	NA	NA
TCGA-S9-A89Z-01A	14.535	14.163	9.1303	8.9243	14.636	13.751	NA	NA	NA
TCGA-TM-A7C3-01A	14.03	13.658	NA	NA	9.1338	8.2515	9.19	NA	NA
TCGA-TM-A7C4-01A	14.716	14.344	NA	NA	13.058	12.174	10.7	NA	10.76
TCGA-TM-A7C5-01A	16.171	15.799	NA	NA	11.929	11.045	11.31	NA	NA
TCGA-TM-A7CA-01A	14.334	13.962	NA	NA	12.721	11.837	NA	NA	NA
TCGA-TM-A7CF-01A	14.261	13.889	10.649	10.443	13.456	12.571	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84B-01A	15.569	15.197	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84C-01A	15.067	14.695	NA	8.7915	11.995	11.111	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84F-01A	15.371	14.999	9.4385	9.2323	11.437	10.553	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84G-01A	15.132	14.76	NA	NA	NA	NA	9.186	NA	NA
TCGA-TM-A84H-01A	14.742	14.37	NA	NA	NA	NA	10.66	NA	9.722
TCGA-TM-A84I-01A	14.984	14.612	9.3504	9.1443	10.349	9.4657	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84J-01A	15.169	14.797	NA	NA	12.235	11.35	9.418	NA	9.477
TCGA-TM-A84L-01A	14.882	14.51	NA	NA	12.441	11.557	9.178	NA	NA
TCGA-TM-A84M-01A	15.937	15.565	NA	NA	12.324	11.44	8.577	NA	NA
TCGA-TM-A84O-01A	13.505	13.133	NA	NA	12.67	11.785	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84Q-01A	17.408	17.036	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84R-01A	14.131	13.759	NA	NA	13.381	12.496	NA	NA	10.18
TCGA-TM-A84S-01A	15.542	15.17	NA	NA	12.081	11.197	NA	NA	NA
TCGA-TM-A84T-01A	14.065	13.693	NA	NA	13.172	12.287	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RF-01A	14.409	14.037	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RG-01A	15.678	15.306	NA	NA	12.191	11.307	9.664	NA	NA
TCGA-TQ-A7RH-01A	15.409	15.037	NA	NA	10.647	9.763	8.706	NA	8.765
TCGA-TQ-A7RI-01A	15.164	14.792	NA	NA	11.645	10.761	9.703	NA	NA

TCGA-TQ-A7RJ-01A	14.156	13.784	10.736	10.53	12.735	11.851	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RK-01A	14.713	14.341	NA	NA	13.1	12.216	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RM-01A	14.243	13.871	NA	NA	10.108	9.2244	10.16	NA	NA
TCGA-TQ-A7RN-01A	15.162	14.79	NA	NA	NA	NA	9.749	NA	NA
TCGA-TQ-A7RO-01A	15.806	15.434	NA	NA	11.439	10.555	11.5	NA	NA
TCGA-TQ-A7RP-01A	13.544	13.173	10.54	10.334	11.861	10.977	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RQ-01A	15.418	15.046	NA	NA	11.718	10.833	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RR-01A	15.095	14.723	NA	NA	10.529	9.645	9.586	NA	9.645
TCGA-TQ-A7RS-01A	16.906	16.534	NA	NA	10.936	10.052	10.99	NA	NA
TCGA-TQ-A7RV-01A	16.833	16.461	12.697	12.49	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-TQ-A7RW-01A	13.991	13.62	NA	NA	11.472	10.588	NA	NA	9.589
TCGA-TQ-A8XE-01A	15.724	15.352	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-VM-A8C8-01A	13.91	13.538	NA	NA	12.004	11.12	9.74	NA	7.804
TCGA-VM-A8C9-01A	12.406	12.035	NA	8.5905	10.964	10.08	7.856	NA	NA
TCGA-VM-A8CA-01A	13.603	13.231	10.183	9.9772	12.352	11.468	8.244	NA	NA
TCGA-VM-A8CB-01A	15.094	14.722	NA	NA	12.674	11.789	10.73	NA	NA
TCGA-VM-A8CD-01A	12.514	12.142	9.902	9.6957	11.486	10.602	NA	NA	NA
TCGA-VM-A8CE-01A	15.376	15.004	10.787	10.58	11.371	10.487	10.43	NA	NA
TCGA-VM-A8CF-01A	14.266	13.894	NA	NA	12.22	11.336	8.958	NA	NA
TCGA-VM-A8CH-01A	16.716	16.344	NA	NA	NA	NA	9.231	NA	NA
TCGA-VV-A829-01A	14.478	14.106	NA	NA	11.502	10.618	NA	NA	NA
TCGA-VV-A86M-01A	14.676	14.304	NA	10.103	13.893	13.008	9.367	NA	NA
TCGA-VW-A7QS-01A	16.631	16.259	NA	NA	11.869	10.985	NA	NA	NA
TCGA-VW-A8FI-01A	14.43	14.058	8.5172	8.3114	8.5172	7.636	NA	NA	NA
TCGA-W9-A837-01A	14.192	13.82	10.057	9.8503	10.057	9.1732	NA	NA	NA
TCGA-WH-A86K-01A	14.301	13.929	NA	NA	12.689	11.804	9.872	NA	8.349
TCGA-WY-A858-01A	14.117	13.745	8.7264	9.5185	13.581	12.697	NA	NA	NA
TCGA-WY-A859-01A	15.212	14.84	10.077	9.8704	13.397	12.513	NA	NA	NA
TCGA-WY-A85A-01A	15.49	15.118	NA	NA	13.499	12.614	NA	NA	9.295
TCGA-WY-A85B-01A	16.637	16.265	NA	10.461	NA	NA	NA	NA	NA
TCGA-WY-A85C-01A	15.017	14.645	NA	NA	11.945	11.061	NA	NA	NA
TCGA-WY-A85D-01A	14.825	14.453	NA	NA	10.599	9.7149	NA	NA	NA
TCGA-WY-A85E-01A	13.78	13.408	NA	NA	10.92	10.036	NA	NA	NA
TCGA-06-0675-11A	15.599	15.227	10.777	11.57	12.776	11.892	10.83	NA	11.89
TCGA-06-0678-11A	15.296	14.924	NA	NA	10.684	9.8	9.741	NA	11.38
TCGA-06-0680-11A	15.068	14.696	NA	NA	11.7	10.816	11.34	NA	9.817
TCGA-06-0681-11A	15.172	14.8	NA	NA	12.804	11.92	NA	9.982	9.921
TCGA-06-AABW-11A	16.034	15.662	NA	NA	12.778	11.893	9.836	NA	NA