

Table S4_data for CP compound-target-disease network

CP compounds' Targets	AD-associated target Genes	PD-associated target Genes
<i>ABCG2</i>	<i>ABCG2</i>	<i>ABCG2</i>
<i>ACACA</i>	<i>ACACA</i>	<i>ACACA</i>
<i>ACHE</i>	<i>ACHE</i>	<i>ACHE</i>
<i>ACP3</i>	<i>ADRA1A</i>	<i>ACP3</i>
<i>ADRA1A</i>	<i>ADRA2A</i>	<i>ADRB2</i>
<i>ADRA1B</i>	<i>ADRB2</i>	<i>AHR</i>
<i>ADRA2A</i>	<i>AHR</i>	<i>AHR</i>
<i>ADRB2</i>	<i>AHSA1</i>	<i>AHSA1</i>
<i>AHR</i>	<i>AKT1</i>	<i>AKT1</i>
<i>AHSA1</i>	<i>ALOX5</i>	<i>ALOX5</i>
<i>AKR1B10</i>	<i>AR</i>	<i>AR</i>
<i>AKR1C3</i>	<i>BAX</i>	<i>BAX</i>
<i>AKT1</i>	<i>BCL2</i>	<i>BCL2</i>
<i>ALOX5</i>	<i>CASP3</i>	<i>BCL2L1</i>
<i>AR</i>	<i>CASP8</i>	<i>CASP3</i>
<i>BAX</i>	<i>CASP9</i>	<i>CASP8</i>
<i>BCL2</i>	<i>CAV1</i>	<i>CASP9</i>
<i>BCL2L1</i>	<i>CCL2</i>	<i>CAV1</i>
<i>BIRC5</i>	<i>CD40LG</i>	<i>CCL2</i>
<i>CA1</i>	<i>CDKN1A</i>	<i>CDKN1A</i>
<i>CALM</i>	<i>CDKN2A</i>	<i>CDKN2A</i>
<i>CASP3</i>	<i>CHRM1</i>	<i>COL3A1</i>
<i>CASP8</i>	<i>CHRM2</i>	<i>CP</i>
<i>CASP9</i>	<i>COL3A1</i>	<i>CRP</i>
<i>CAV1</i>	<i>CP</i>	<i>CTSD</i>
<i>CCL16</i>	<i>CRP</i>	<i>CXCL11</i>
<i>CCL2</i>	<i>CTSD</i>	<i>CXCL2</i>
<i>CCNB1</i>	<i>CXCL10</i>	<i>CXCL8</i>
<i>CCND1</i>	<i>CXCL11</i>	<i>CYP1A1</i>
<i>CD40LG</i>	<i>CXCL2</i>	<i>CYP1B1</i>
<i>CDC2</i>	<i>CXCL8</i>	<i>CYP3A4</i>
<i>CDKN1A</i>	<i>CYP3A4</i>	<i>DCAF5</i>
<i>CDKN2A</i>	<i>E2F1</i>	<i>E2F1</i>
<i>CHEK2</i>	<i>EGFR</i>	<i>EGFR</i>
<i>CHRM1</i>	<i>ELK1</i>	<i>ERBB2</i>
<i>CHRM2</i>	<i>ERBB2</i>	<i>ERBB3</i>
<i>CHUK</i>	<i>F3</i>	<i>GRIA2</i>
<i>CLDN4</i>	<i>FOS</i>	<i>GSTM1</i>
<i>COL3A1</i>	<i>GABRA2</i>	<i>GSTM2</i>
<i>CRP</i>	<i>GJA1</i>	<i>GYRB</i>
<i>CTRB</i>	<i>GRIA2</i>	<i>HAS2</i>

<i>CTSD</i>	<i>GSTM1</i>	<i>HAS2</i>
<i>CXCL10</i>	<i>GSTM2</i>	<i>HIF1A</i>
<i>CXCL11</i>	<i>HIF1A</i>	<i>HK2</i>
<i>CXCL2</i>	<i>HMOX1</i>	<i>HMOX1</i>
<i>CXCL8</i>	<i>HSF1</i>	<i>HSF1</i>
<i>CYP1A1</i>	<i>HSP90AA1</i>	<i>HSP90AA1</i>
<i>CYP1B1</i>	<i>HSPB1</i>	<i>HSPB1</i>
<i>CYP3A4</i>	<i>ICAM1</i>	<i>ICAM1</i>
<i>DCAF5</i>	<i>IFNG</i>	<i>IFNG</i>
<i>DIO1</i>	<i>IGF2</i>	<i>IGF2</i>
<i>DUOX2</i>	<i>IGFBP3</i>	<i>IKBKB</i>
<i>E2F1</i>	<i>IKBKB</i>	<i>IL10</i>
<i>E2F2</i>	<i>IL10</i>	<i>IL1A</i>
<i>EGFR</i>	<i>IL1A</i>	<i>IL1B</i>
<i>EIF6</i>	<i>IL1B</i>	<i>IL6</i>
<i>ELK1</i>	<i>IL6</i>	<i>INSR</i>
<i>ERBB2</i>	<i>INSR</i>	<i>MAOA</i>
<i>ERBB3</i>	<i>JUN</i>	<i>MAOB</i>
<i>F10</i>	<i>LYZ</i>	<i>MAPK1</i>
<i>F3</i>	<i>MAOA</i>	<i>MAPK8</i>
<i>F7</i>	<i>MAOB</i>	<i>MGAM</i>
<i>FOS</i>	<i>MAPK1</i>	<i>MMP1</i>
<i>GABRA1</i>	<i>MAPK8</i>	<i>MMP2</i>
<i>GABRA2</i>	<i>MGAM</i>	<i>MMP9</i>
<i>GJA1</i>	<i>MMP1</i>	<i>MPO</i>
<i>GRIA2</i>	<i>MMP2</i>	<i>MYC</i>
<i>GRP78</i>	<i>MMP3</i>	<i>NCF1</i>
<i>GSTM1</i>	<i>MMP9</i>	<i>NFE2L2</i>
<i>GSTM2</i>	<i>MPO</i>	<i>NFE2L2</i>
<i>GYRB</i>	<i>MYC</i>	<i>NFKBIA</i>
<i>HAS2</i>	<i>NCF1</i>	<i>NOS2</i>
<i>HERC5</i>	<i>NFE2L2</i>	<i>NOS3</i>
<i>HIF1A</i>	<i>NOS2</i>	<i>NPEPPS</i>
<i>HK2</i>	<i>NOS3</i>	<i>NQO1</i>
<i>HMOX1</i>	<i>NPEPPS</i>	<i>NQO1</i>
<i>HSF1</i>	<i>NQO1</i>	<i>NQO2</i>
<i>HSP90AA1</i>	<i>NQO2</i>	<i>NR1I2</i>
<i>HSPB1</i>	<i>NR1I2</i>	<i>NR1I3</i>
<i>ICAM1</i>	<i>NR1I3</i>	<i>NR1I3</i>
<i>IFNG</i>	<i>PARP1</i>	<i>PARP1</i>
<i>IGF2</i>	<i>PGR</i>	<i>PARP1</i>
<i>IGFBP3</i>	<i>PIK3CG</i>	<i>PIK3CG</i>
<i>IKBKB</i>	<i>PLAT</i>	<i>PON1</i>

<i>IL10</i>	<i>PLAU</i>	<i>PPARA</i>
<i>IL1A</i>	<i>PON1</i>	<i>PPARD</i>
<i>IL1B</i>	<i>PPARA</i>	<i>PPARG</i>
<i>IL2</i>	<i>PPARD</i>	<i>PRKACA</i>
<i>IL6</i>	<i>PPARG</i>	<i>PSMD3</i>
<i>INSR</i>	<i>PRKACA</i>	<i>PTEN</i>
<i>IRF1</i>	<i>PRKCA</i>	<i>PTGS2</i>
<i>JUN</i>	<i>PRKCB</i>	<i>RB1</i>
<i>KCNH2</i>	<i>PSMD3</i>	<i>RXRA</i>
<i>LTA4H</i>	<i>PTEN</i>	<i>SELE</i>
<i>LYZ</i>	<i>PTGS1</i>	<i>SERPINE1</i>
<i>MAOA</i>	<i>PTGS2</i>	<i>SLC2A4</i>
<i>MAOA</i>	<i>RAF1</i>	<i>SLC2A4</i>
<i>MAOB</i>	<i>RASA1</i>	<i>SLC6A2</i>
<i>MAO-B</i>	<i>RB1</i>	<i>SLC6A3</i>
<i>MAPK1</i>	<i>RELA</i>	<i>SLC6A4</i>
<i>MAPK8</i>	<i>RUNX1T1</i>	<i>SOD1</i>
<i>MGAM</i>	<i>RXRA</i>	<i>SPP1</i>
<i>MMP1</i>	<i>SELE</i>	<i>STAT1</i>
<i>MMP2</i>	<i>SERPINE1</i>	<i>TGFB1</i>
<i>MMP3</i>	<i>SLC2A4</i>	<i>TNF</i>
<i>MMP9</i>	<i>SLC6A2</i>	<i>TOP2A</i>
<i>MPO</i>	<i>SLC6A3</i>	<i>TP53</i>
<i>MYC</i>	<i>SLC6A4</i>	<i>TYR</i>
<i>NCF1</i>	<i>SLPI</i>	<i>VCAM1</i>
<i>NCOA2</i>	<i>SOD1</i>	
<i>NFE2L2</i>	<i>SPP1</i>	
<i>NFKB1A</i>	<i>STAT1</i>	
<i>NKX3-1</i>	<i>TGFB1</i>	
<i>NOS2</i>	<i>TNF</i>	
<i>NOS3</i>	<i>TP53</i>	
<i>NPEPPS</i>	<i>TYR</i>	
<i>NQO1</i>	<i>VCAM1</i>	
<i>NQO2</i>		
<i>NR1I2</i>		
<i>NR1I3</i>		
<i>ODC1</i>		
<i>PARP1</i>		
<i>PCOLCE</i>		
<i>PGR</i>		
<i>PIK3CG</i>		
<i>PKIA</i>		
<i>PLA2G2E</i>		

PLAT
PLAU
PONI
PPARA
PPARD
PPARG
PPP3CA
PRKACA
PRKCA
PRKCB
PRSSI
PRXC1A
PSMD3
PTEN
PTGER3
PTGS1
PTGS2
QTRT1
RAF1
RASA1
RASSF1
RBI
RELA
RUNX1T1
RUNX2
RXRA
SCN5A
SELE
SERPINE1
SLC2A4
SLC6A2
SLC6A3
SLC6A4
SLPI
SOD1
SPP1
STAT1
TGFB1
THBD
TNF
TOP1
TOP2A
TP53

TYR

VCAMI

XDH

Dementia-associated target Genes	Overlapping targets
<i>ACHE</i>	<i>ACHE</i>
<i>AHR</i>	<i>AHR</i>
<i>AKT1</i>	<i>AKT1</i>
<i>BAX</i>	<i>BAX</i>
<i>BCL2</i>	<i>BCL2</i>
<i>CAV1</i>	<i>CAV1</i>
<i>CDKN1A</i>	<i>CDKN1A</i>
<i>CHRM1</i>	<i>CTSD</i>
<i>CTSD</i>	<i>CXCL8</i>
<i>CXCL10</i>	<i>E2F1</i>
<i>CXCL8</i>	<i>EGFR</i>
<i>E2F1</i>	<i>HMOX1</i>
<i>EGFR</i>	<i>HSF1</i>
<i>HMOX1</i>	<i>ICAM1</i>
<i>HSF1</i>	<i>IFNG</i>
<i>ICAM1</i>	<i>IGF2</i>
<i>IFNG</i>	<i>IKBKB</i>
<i>IGF2</i>	<i>IL10</i>
<i>IGFBP3</i>	<i>IL1A</i>
<i>IKBKB</i>	<i>IL1B</i>
<i>IL10</i>	<i>IL6</i>
<i>IL1A</i>	<i>INSR</i>
<i>IL1B</i>	<i>MAOA</i>
<i>IL6</i>	<i>MAPK1</i>
<i>INSR</i>	<i>MMP2</i>
<i>MAOA</i>	<i>MMP9</i>
<i>MAPK1</i>	<i>MPO</i>
<i>MMP2</i>	<i>NOS2</i>
<i>MMP3</i>	<i>NOS3</i>
<i>MMP9</i>	<i>NR1I2</i>
<i>MPO</i>	<i>PIK3CG</i>
<i>NOS2</i>	<i>PPARA</i>
<i>NOS3</i>	<i>PPARG</i>
<i>NR1I2</i>	<i>PTGS2</i>
<i>PIK3CG</i>	<i>SELE</i>
<i>PLAU</i>	<i>SERPINE1</i>
<i>PPARA</i>	<i>SLC6A3</i>
<i>PPARG</i>	<i>SOD1</i>
<i>PPP3CA</i>	<i>SPP1</i>
<i>PRKCB</i>	<i>STAT1</i>
<i>PTGS2</i>	<i>TGFB1</i>

SELE
SERPINE1
SLC6A3
SOD1
SPP1
STAT1
TGFB1
TNF
TP53
VCAM1

TNF
TP53
VCAM1