

Table 3. Biochemical characters of all Argonaute sequences

Name	Gene ID	Length	Weight	Isoelectric point	Aliphatic index	Hydrophobic	Hydrophilic	Negatively Charged	Positively Charged	Alpha helix	Beta strand
Sl-AGO1	Solyc06g073540.2.1	913	101.879	9.21	81.654	0.479	0.265	0.108	0.125	18	43
Sl-AGO2	Solyc06g073530.1	904	101.278	9.2	83.219	0.468	0.274	0.105	0.124	21	39
Sl-AGO3	Solyc06g074730.2	1011	112.64	9.46	76.439	0.481	0.262	0.096	0.127	23	49
Sl-AGO4	Solyc06g072300.2	1054	116.855	9.58	74.725	0.488	0.267	0.094	0.127	30	33
Sl-AGO5	Solyc02g069270.2	977	109.978	9.3	71.699	0.477	0.267	0.104	0.129	25	38
Sl-AGO6	Solyc02g069280.2	999	112.671	9.06	77.728	0.446	0.273	0.121	0.138	26	39
Sl-AGO7	Solyc02g069260.2	1042	115.999	9.55	73.868	0.488	0.262	0.097	0.131	24	32
Sl-AGO8	Solyc03g111760.2	916	104.683	9.78	86.91	0.471	0.287	0.084	0.130	20	50
Sl-AGO9	Solyc03g098280.2	980	109.211	9.38	79.48	0.477	0.273	0.099	0.126	29	30
Sl-AGO10	Solyc07g049500.2	903	101.552	8.94	86.866	0.463	0.261	0.115	0.127	29	35
Sl-AGO11	Solyc01g010970.2	1000	114.006	9.42	86.43	0.450	0.291	0.095	0.127	32	38
Sl-AGO12	Solyc01g096750.1	881	98.778	9.43	81.555	0.465	0.276	0.101	0.129	25	32
Sl-AGO13	Solyc01g008960.2	909	101.751	9.18	81.232	0.475	0.268	0.108	0.125	18	46
Sl-AGO14	Solyc12g006790.1.1	933	105.493	9.43	86.088	0.459	0.282	0.100	0.135	33	40
Sl-AGO15	Solyc09g082830.2.1	982	110.521	9.45	80.295	0.462	0.275	0.101	0.135	25	38
Mg-AGO1	mgv1a001065m	898	99.844	8.99	87.149	0.465	0.286	0.104	0.118	23	44
Mg-AGO2	mgv1a022215m	1008	112.812	9.61	79.286	0.477	0.274	0.093	0.131	26	50
Mg-AGO3	mgv1a000944m	936	104.007	9.0	79.957	0.476	0.277	0.109	0.122	30	37
Mg-AGO4	mgv1a000822m	971	108.361	9.53	81.03	0.479	0.269	0.094	0.130	30	33
Mg-AGO5	mgv1a002480m	668	74.61	9.42	89.88	0.503	0.240	0.102	0.136	20	22
Mg-AGO6	mgv1a001217m	863	97.031	9.94	85.724	0.484	0.267	0.086	0.144	22	41
Mg-AGO7	mgv1a001669m	776	87.709	6.38	90.374	0.455	0.281	0.128	0.119	18	33
Mg-AGO8	mgv1a000922m	942	105.26	9.33	79.575	0.485	0.256	0.103	0.132	23	34
Mg-AGO9	mgv1a001365m	833	95.127	9.2	76.723	0.448	0.288	0.100	0.126	25	34
Mg-AGO10	mgv1a000545m	1084	120.856	9.45	71.587	0.478	0.275	0.094	0.123	30	32

Mg-AGO11	mgv1a001084m	893	99.234	9.55	83.919	0.496	0.259	0.095	0.127	16	38
Mg-AGO12	mgv1a000751m	995	111.997	9.53	74.693	0.464	0.275	0.104	0.137	24	39
Mg-AGO13	mgv1a000885m	951	108.069	9.24	83.775	0.461	0.263	0.114	0.138	28	47
Rc-AGO1	Rcommunis 27389	863	97.113	9.41	82.897	0.459	0.286	0.101	0.132	23	33
Rc-AGO2	Rcommunis 29589	987	110.115	9.63	78.034	0.467	0.278	0.097	0.137	31	35
Rc-AGO3	Rcommunis 29677	1063	117.809	9.49	73.17	0.486	0.271	0.094	0.125	26	33
Rc-AGO4	Rcommunis 29684	921	102.866	9.2	79.848	0.477	0.264	0.109	0.127	16	42
Rc-AGO5	Rcommunis 29807	944	107.108	9.19	85.604	0.458	0.280	0.107	0.131	33	39
Rc-AGO6	Rcommunis 29813	1020	116.266	9.62	81.716	0.459	0.284	0.093	0.133	38	23
Rc-AGO7	Rcommunis 29828	917	102.702	9.11	81.167	0.480	0.264	0.108	0.123	25	38
Rc-AGO8	Rcommunis 29844	986	110.938	9.42	79.696	0.462	0.277	0.100	0.133	37	30
Rc-AGO9	Rcommunis 30093	972	107.961	9.14	78.117	0.473	0.278	0.102	0.120	27	30
Fv-AGO1	mrna00394.1-v1.0-hybrid	1079	120.329	9.32	81.437	0.467	0.286	0.103	0.125	28	47
Fv-AGO2	mrna16928.1-v1.0-hybrid	1080	120.083	9.41	85.917	0.483	0.265	0.103	0.130	24	50
Fv-AGO3	mrna28930.1-v1.0-hybrid	1007	112.714	9.46	80.933	0.473	0.271	0.098	0.133	32	39
Fv-AGO4	mrna06591.1-v1.0-hybrid	888	100.229	9.63	80.518	0.476	0.273	0.095	0.135	24	38
Fv-AGO5	mrna16926.1-v1.0-hybrid	845	94.679	8.89	86.331	0.483	0.254	0.115	0.127	19	40
Fv-AGO6	mrna01157.1-v1.0-hybrid	1065	118.687	9.46	87.005	0.485	0.270	0.099	0.128	24	51
Fv-AGO7	mrna07657.1-v1.0-hybrid	975	108.259	8.92	83.159	0.475	0.272	0.111	0.122	22	40
Fv-AGO8	mrna09291.1-v1.0-hybrid	1090	120.438	9.42	74.092	0.477	0.272	0.094	0.122	33	29
Fv-AGO9	mrna09290.1-v1.0-hybrid	1956	218.156	9.03	77.515	0.489	0.265	0.104	0.119	62	65
Fv-AGO10	mrna14489.1-v1.0-hybrid	853	94.968	9.43	80.551	0.468	0.274	0.101	0.127	26	31
Fv-AGO11	mrna14490.1-v1.0-hybrid	1070	119.767	9.95	77.551	0.466	0.271	0.093	0.145	30	37
Fv-AGO12	mrna20067.1-v1.0-hybrid	1063	117.875	9.44	74.516	0.483	0.270	0.102	0.128	29	36
Tc-AGO1	Thecc1EG042027t1	913	101.897	9.2	81.512	0.478	0.272	0.104	0.123	22	41
Tc-AGO2	Thecc1EG041547t1	988	109.667	9.7	73.887	0.455	0.291	0.092	0.136	28	40
Tc-AGO3	Thecc1EG037973t1	943	106.727	9.36	83.627	0.458	0.276	0.104	0.134	32	42

Tc-AGO4	Thecc1EG001025t1	970	107.939	9.25	77.67	0.461	0.276	0.105	0.131	28	43
Tc-AGO5	Thecc1EG001023t1	978	109.528	9.41	78.916	0.459	0.283	0.101	0.133	23	47
Tc-AGO6	Thecc1EG002192t1	903	100.8	9.51	88.062	0.476	0.264	0.102	0.135	19	38
Tc-AGO7	Thecc1EG029345t1	1016	113.818	9.51	78.248	0.491	0.238	0.103	0.133	22	46
Tc-AGO8	Thecc1EG029341t1	904	100	9.39	83.992	0.472	0.247	0.092	0.118	21	45
Tc-AGO9	Thecc1EG013468t1	1063	117.088	9.51	74.647	0.488	0.272	0.090	0.124	26	37
Tc-AGO10	Thecc1EG020717t1	994	111.528	9.43	78.179	0.471	0.270	0.100	0.132	34	30
Tc-AGO11	Thecc1EG011631t1	1014	115.046	9.54	80.838	0.461	0.284	0.094	0.129	33	35
Sb-AGO1	Sb01g004920.1	1067	117.271	9.54	74.658	0.503	0.248	0.093	0.126	23	47
Sb-AGO2	Sb01g011870.1	1255	135.416	9.85	72.151	0.519	0.268	0.074	0.116	28	45
Sb-AGO3	Sb01g011880.1	1087	119.281	9.49	78.721	0.498	0.247	0.094	0.129	26	44
Sb-AGO4	Sb01g032060.1	1033	115.846	9.55	83.911	0.489	0.245	0.097	0.132	37	33
Sb-AGO5	Sb02g005150.1	1036	112.033	9.67	76.448	0.527	0.250	0.080	0.118	20	46
Sb-AGO6	Sb02g032980.1	1044	114.154	9.51	71.619	0.509	0.239	0.098	0.132	26	43
Sb-AGO7	Sb03g011020.1	900	100.671	9.29	81.744	0.469	0.268	0.107	0.130	23	41
Sb-AGO8	Sb04g038420.1	1028	113.75	9.55	76.77	0.500	0.246	0.097	0.129	29	34
Sb-AGO9	Sb06g025560.1	1082	119.861	9.6	74.667	0.490	0.265	0.091	0.125	25	40
Sb-AGO10	Sb06g028510.1	1092	116.914	9.55	73.819	0.516	0.245	0.091	0.125	23	38
Sb-AGO11	Sb09g000530.1	1109	122.108	9.64	72.777	0.485	0.270	0.088	0.123	25	37
Sb-AGO12	Sb09g030910.1	909	101.474	9.07	76.975	0.475	0.263	0.111	0.128	24	35
Sb-AGO13	Sb10g023230.1	975	108.899	9.48	81.108	0.489	0.256	0.095	0.129	26	41
Sb-AGO14	Sb10g031030.1	1016	112.888	9.16	78.72	0.484	0.261	0.102	0.122	35	26
Pv-AGO1	Phvul.003G160200.1	376	42.584	9.27	99.282	0.489	0.266	0.093	0.128	12	25
Pv-AGO2	Phvul.003G046700.1	1027	117.582	9.39	82.016	0.440	0.290	0.097	0.128	33	31
Pv-AGO3	Phvul.003G160000.1	906	102.691	9.22	89.812	0.466	0.266	0.108	0.134	27	47
Pv-AGO4	Phvul.009G199500.1	908	103.144	9.28	84.251	0.457	0.280	0.105	0.132	32	45
Pv-AGO5	Phvul.011G169400.1	886	99.248	8.96	88.409	0.465	0.277	0.108	0.123	23	44
Pv-AGO6	Phvul.011G088200.1	995	109.725	9.71	79.487	0.481	0.278	0.089	0.125	27	39

Pv-AGO7	Phvul.008G206600.1	907	101.348	9.29	83.55	0.472	0.269	0.109	0.130	19	39
Pv-AGO8	Phvul.008G206500.1	904	101.388	9.34	83.186	0.467	0.271	0.110	0.133	18	34
Pv-AGO9	Phvul.004G142900.1	1063	117.405	9.46	73.735	0.494	0.263	0.093	0.124	25	37
Pv-AGO10	Phvul.007G062800.1	974	109.675	9.41	78.573	0.464	0.271	0.104	0.137	34	33
Pv-AGO11	Phvul.007G278600.1	974	109.675	9.41	78.573	0.464	0.271	0.104	0.137	34	38
Pv-AGO12	Phvul.006G021200.1	919	103.112	9.11	81.306	0.479	0.256	0.113	0.129	18	36
Pv-AGO13	Phvul.006G131700.1	979	111.161	9.28	79.714	0.469	0.266	0.106	0.134	21	43
Pv-AGO14	Phvul.002G100100.1	971	109.753	9.24	76.262	0.457	0.263	0.113	0.138	24	42
AI-AGO1	481584	924	103.089	9.16	80.487	0.474	0.275	0.106	0.123	26	36
AI-AGO2	473645	1023	113.989	9.54	67.986	0.482	0.241	0.114	0.144	29	43
AI-AGO3	476072	989	113.133	9.38	82.174	0.446	0.287	0.100	0.131	32	30
AI-AGO4	326484	848	95.299	9.41	81.91	0.467	0.279	0.098	0.126	21	40
AI-AGO5	913356	1110	122.476	9.72	70.477	0.463	0.274	0.104	0.141	27	55
AI-AGO6	933874	877	98.734	9.17	83.9	0.469	0.267	0.108	0.130	19	39
AI-AGO7	489025	902	100.895	9.38	80.022	0.475	0.286	0.098	0.123	22	42
AI-AGO8	481718	1001	111.224	9.67	78.771	0.454	0.296	0.095	0.132	30	36
AI-AGO9	473977	1052	116.545	9.51	74.772	0.476	0.278	0.094	0.126	28	34
AI-AGO10	948772	983	110.411	9.5	79.919	0.464	0.278	0.099	0.135	32	37
Csi-AGO1	orange1.1g002636m	898	100.949	9.6	77.717	0.470	0.280	0.092	0.126	16	37
Csi-AGO2	orange1.1g003630m	806	91.162	9.1	88.511	0.485	0.283	0.097	0.113	22	39
Csi-AGO3	orange1.1g001684m	1030	117.035	9.37	81.291	0.450	0.295	0.094	0.125	34	31
Csi-AGO4	orange1.1g001954m.1	992	111.515	9.49	79.496	0.459	0.282	0.098	0.133	36	31
Csi-AGO5	orange1.1g002661m.1	895	100.498	9.57	86.458	0.473	0.272	0.099	0.132	20	35
Csi-AGO6	orange1.1g048669m	568	64.051	9.94	83.398	0.470	0.271	0.095	0.143	15	22
Csi-AGO7	orange1.1g002449m.1	920	102.996	9.17	83.12	0.473	0.267	0.111	0.128	21	38
Csi-AGO8	orange1.1g036169m	619	69.384	9.86	85.202	0.465	0.271	0.092	0.142	22	25
Csi-AGO9	orange1.1g001466m.1	1073	118.337	9.47	72.022	0.482	0.272	0.093	0.122	24	38
Csi-AGO10	orange1.1g002204m	954	106.772	9.33	82.369	0.477	0.286	0.095	0.118	26	41

Zm-AGO1	GRMZM2G441583_T01	1102	121.056	9.63	76.243	0.502	0.259	0.086	0.119	28	39
Zm-AGO2	GRMZM2G141818_T03.1	910	101.543	9.04	78.176	0.473	0.264	0.112	0.127	23	33
Zm-AGO3	GRMZM2G079080_T02.1	966	108.385	9.47	83.282	0.487	0.257	0.099	0.133	32	32
Zm-AGO4	AC189879.3_FGT003	984	109.604	9.39	83.262	0.502	0.251	0.093	0.126	26	38
Zm-AGO5	GRMZM2G105250_T01	1053	115.706	9.38	70.684	0.499	0.242	0.105	0.135	30	36
Zm-AGO6	GRMZM2G007791_T01.1	1033	112.154	9.54	77.173	0.501	0.256	0.094	0.129	28	32
Zm-AGO7	GRMZM2G059033_T01.1	1013	110.399	9.49	78.569	0.515	0.242	0.093	0.124	23	38
Zm-AGO8	GRMZM2G039455_T01	1078	119.683	9.54	75.584	0.488	0.268	0.092	0.122	26	40
Zm-AGO9	GRMZM2G589579_T01	898	100.533	9.35	82.149	0.474	0.258	0.109	0.134	23	40
Zm-AGO10	GRMZM5G892991_T01	1032	115.298	9.56	84.176	0.494	0.236	0.098	0.132	31	33
Zm-AGO11	GRMZM2G457370_T01.1	919	103	8.65	86.35	0.468	0.247	0.129	0.137	28	38
Zm-AGO12	GRMZM2G354867_T01	1039	113	9.43	77.584	0.500	0.257	0.095	0.126	21	44
Zm-AGO13	AC209206.3_FGT011	1092	121	9.35	72.747	0.483	0.267	0.097	0.120	28	37
Zm-AGO14	GRMZM2G361518_T01.2	1027	114	9.41	78.257	0.484	0.260	0.100	0.128	33	27
Zm-AGO15	GRMZM2G123063_T01	941	103	9.41	75.143	0.505	0.240	0.096	0.123	18	44
Zm-AGO16	GRMZM2G461936_T02.1	869	95.04	9.45	78.44	0.494	0.268	0.089	0.124	20	35
Lu-AGO1	Lus10014386	1113	124	9.46	80.045	0.470	0.279	0.098	0.127	29	50
Lu-AGO2	Lus10025537	922	102	8.94	91.95	0.500	0.248	0.108	0.120	24	36
Lu-AGO3	Lus10006627	1007	112	9.45	77.09	0.467	0.279	0.097	0.130	34	32
Lu-AGO4	Lus10017983	1186	128	9.59	68.7	0.500	0.277	0.083	0.115	23	38
Lu-AGO5	Lus10015155	884	98.7	9.45	82.7	0.484	0.267	0.10	0.129	21	38
Lu-AGO6	Lus10031331	1094	120	9.53	71.08	0.476	0.282	0.093	0.126	26	34
Lu-AGO7	Lus10037136	1021	115	9.43	79.87	0.45	0.289	0.092	0.124	26	50
Lu-AGO8	Lus10041978	1178	129	9.58	72.95	0.497	0.277	0.083	0.117	23	43
Lu-AGO9	Lus10040619	1173	131	9.13	77.83	0.470	0.257	0.115	0.13	29	55
Lu-AGO10	Lus10029989	919	103	9.57	85	0.473	0.277	0.092	0.127	26	35
Lu-AGO11	Lus10023882	983	109	8.24	80.02	0.46	0.307	0.104	0.107	25	55
Lu-AGO12	Lus10035331	913	101	9.31	86.78	0.476	0.269	0.101	0.125	25	38

Lu-AGO13	Lus10036794	1020	115	9.41	78.147	0.449	0.294	0.091	0.123	24	50
Lu-AGO14	Lus10036795	875	98.826	9.37	84.503	0.464	0.278	0.098	0.129	22	45
Lu-AGO15	Lus10039386	874	98.4	9.2	84.00	0.478	0.26	0.104	0.129	31	30
Lu-AGO16	Lus10026750	873	97.	9.22	84.834	0.491	0.253	0.108	0.127	22	34
Lu-AGO17	Lus10018290	1021	114	9.33	73.27	0.476	0.250	0.112	0.135	25	46
Lu-AGO18	Lus10031904	1053	116	9.63	72.65	0.477	0.282	0.091	0.128	24	35
Mt-AGO1	Medtr3g083300.1	947	105	8.83	87.38	0.479	0.272	0.108	0.117	30	31
Mt-AGO2	Medtr3g010650.1	876	99.92	9.35	84.11	0.436	0.298	0.099	0.131	23	37
Mt-AGO3	Medtr2g028910.1	1038	117	9.13	77.9	0.457	0.269	0.116	0.135	23	47
Mt-AGO4	Medtr5g087890.1	929	104	9.36	87.33	0.473	0.270	0.104	0.132	21	45
Mt-AGO5	Medtr5g087870.1	948	106	9.27	83	0.474	0.274	0.102	0.123	20	43
Mt-AGO6	Medtr5g042590.1	1016	116	9.32	81.2	0.432	0.310	0.096	0.125	36	36
Mt-AGO7	Medtr1g106830.1	902	102	9.48	80	0.461	0.277	0.104	0.136	23	36
Mt-AGO8	Medtr4g113200.1	876	98	9.04	86.6	0.463	0.274	0.106	0.128	23	42
Mt-AGO9	Medtr4g083610.1	977	109.82	9.43	76.18	0.467	0.278	0.097	0.128	22	41
Cr-AGO1	Carubv10008180m	1021	113.716	9.71	71.577	0.478	0.245	0.109	0.146	29	42
Cr-AGO2	Carubv10008158m	1068	118.232	9.5	73.567	0.477	0.281	0.092	0.124	28	31
Cr-AGO3	Carubv10010881m	948	105.973	9.32	70.622	0.467	0.267	0.112	0.131	24	42
Cr-AGO4	Carubv10022614m	877	98.706	9.16	84.47	0.471	0.270	0.107	0.128	20	39
Cr-AGO5	Carubv10025461m	1023	113.343	9.76	78.387	0.471	0.276	0.096	0.136	30	40
Cr-AGO6	Carubv10022599m	923	102.816	9.25	80.585	0.481	0.271	0.103	0.124	25	40
Cr-AGO7	Carubv10019715m	989	113.448	9.45	82.073	0.446	0.277	0.101	0.135	35	29
Cr-AGO8	Carubv10002706m	861	96.958	9.5	81.15	0.467	0.280	0.098	0.130	25	31
Cr-AGO9	Carubv10000166m	922	103.174	9.39	81.475	0.479	0.277	0.101	0.127	24	42
Cr-AGO10	Carubv10025804m	1018	114.413	9.61	80.147	0.464	0.276	0.097	0.139	36	37
Eg-AGO1	Eucgr.B03780.1	918	102.314	9.29	83.399	0.485	0.260	0.107	0.127	19	44
Eg-AGO2	Eucgr.B03907.1	1004	110.688	9.6	79.293	0.503	0.238	0.101	0.134	32	35

Eg-AGO3	Eucgr.B03909.1	1000	110.911	9.5	79.98	0.495	0.247	0.103	0.133	29	36
Eg-AGO4	Eucgr.D00105.1	891	101.972	9.28	84.77	0.464	0.275	0.102	0.130	20	40
Eg-AGO5	Eucgr.D00106.1	955	109	9.22	75	0.465	0.277	0.098	0.137	24	35
Eg-AGO6	Eucgr.D00109.1	958	109.03	8.82	75.908	0.442	0.271	0.121	0.134	30	32
Eg-AGO7	Eucgr.D01097.1	968	111.83	9.34	79.215	0.441	0.259	0.118	0.147	32	36
Eg-AGO8	Eucgr.G02476.1	1016	114.972	9.49	82.687	0.460	0.273	0.100	0.135	25	33
Eg-AGO9	Eucgr.H00532.1	980	110.044	9.54	79.786	0.465	0.277	0.098	0.137	39	28
Eg-AGO10	Eucgr.H00615.1	1051	116.566	9.45	72.997	0.459	0.281	0.102	0.133	24	37
Eg-AGO11	Eucgr.J00634.1	949	105.807	9.13	81.834	0.476	0.277	0.102	0.120	20	40
Eg-AGO12	Eucgr.K00735.1	904	101.337	9.36	84.602	0.465	0.279	0.105	0.133	23	34
Eg-AGO13	Eucgr.K00736.1	880	98.879.38	9.38	85.045	0.459	0.277	0.106	0.134	23	33
Eg-AGO14	Eucgr.K02304.1	1074	119.402	9.43	70.168	0.478	0.265	0.098	0.128	25	33
Si-AGO1	Si004216m	849	94.87	9.39	87.797	0.459	0.278	0.104	0.134	21	39
Si-AGO2	Si000241m	902	101	9.36	78.647	0.460	0.279	0.104	0.133	25	35
Si-AGO3	Si034423m	730	82.79	9.31	79.658	0.463	0.278	0.104	0.134	17	36
Si-AGO4	Si040253m	1030	115.461	9.62	82.155	0.461	0.280	0.101	0.132	37	32
Si-AGO5	Si034005m	1094	118	9.75	77.176	0.460	0.282	0.102	0.130	28	42
Si-AGO6	Si016190m	1023	113.72	9.62	77.722	0.467	0.269	0.109	0.136	31	29
Si-AGO7	Si009227m	1083	120	9.56	72	0.444	0.289	0.111	0.129	25	38
Si-AGO8	Si009244m	1024	110.78	9.4	75.6	0.485	0.267	0.093	0.135	25	29
Si-AGO9	Si021147m.1	910	101.6	9.22	79.13	0.460	0.277	0.102	0.135	22	37
Si-AGO10	Si021039m.1	1102	121	9.65	73.66	0.504	0.269	0.083	0.118	27	34
Si-AGO11	Si005792m	959	106.97	9.53	82.471	0.500	0.273	0.083	0.118	27	39
Si-AGO12	Si005737m	1098	122.35	9.41	73.379	0.465	0.299	0.092	0.116	34	32
Si-AGO13	Si028876m	888	98.604	8.99	83.547	0.472	0.290	0.089	0.118	30	36
Si-AGO14	Si028918m	846	94.66	9.53	86.93	0.463	0.298	0.094	0.118	20	38
Si-AGO15	Si028786m	1041	112.64	9.59	73.67	0.466	0.303	0.089	0.115	20	40
Me-AGO1	cassava4.1_028612m	922	104	9.38	83.94	0.463	0.282	0.099	0.132	27	41

Me-AGO2	cassava4.1_000932m	993	111	9.4	78.2	0.465	0.275	0.100	0.131	36	34
Me-AGO3	cassava4.1_000946m	990	111	9.47	78.495	0.466	0.270	0.100	0.135	35	30
Me-AGO4	cassava4.1_000940m	991	110	9.68	75.53	0.460	0.281	0.097	0.137	32	35
Me-AGO5	cassava4.1_000956m	988	110	9.49	77.9	0.462	0.280	0.10	0.133	28	40
Me-AGO6	cassava4.1_028537m	942	104.5	9.29	69.13	0.482	0.274	0.094	0.121	20	32
Me-AGO7	cassava4.1_000845m	1017	115	9.59	80.51	0.456	0.280	0.095	0.135	34	33
Me-AGO8	cassava4.1_000826m	1021	116	9.5	82.292	0.452	0.294	0.095	0.130	31	36
Me-AGO9	cassava4.1_001305m	909	101	9.25	80.92	0.468	0.268	0.110	0.131	19	40
Me-AGO10	cassava4.1_001312m	908	102	9.24	83.051	0.474	0.264	0.110	0.130	22	43
Me-AGO11	cassava4.1_000920m	995	110	9.51	77.095	0.485	0.254	0.099	0.131	26	40
Me-AGO12	cassava4.1_001630m	845	95	9.06	85.219	0.466	0.266	0.114	0.130	22	43
Me-AGO13	cassava4.1_021803m	683	76	9.75	83.47	0.471	0.264	0.102	0.148	16	28
At-AGO1	AT1G48410.2	1050	116.459	9.5	74.724	0.477	0.278	0.093	0.125	30	33
At-AGO2	AT1G31280.1	1014	113.422	9.65	70.227	0.477	0.242	0.113	0.148	22	45
At-AGO3	AT1G31290.1	1194	129.18	9.51	70.46	0.49	0.243	0.110	0.135	23	51
At-AGO4	AT2G27040.1	924	102.83	9.25	80.27	0.476	0.275	0.104	0.123	26	42
At-AGO5	AT2G27880.1	997	111.087	9.63	78.857	0.454	0.287	0.10	0.136	26	38
At-AGO6	AT2G32940.1	878	98.68	8.92	84.681	0.475	0.264	0.110	0.124	15	47
At-AGO7	AT1G69440.1	990	113.395	9.43	81.98	0.449	0.278	0.100	0.133	33	31
At-AGO8	AT5G21030.1	850	95.506	9.18	82.435	0.462	0.293	0.096	0.118	20	36
At-AGO9	AT5G21150.1	896	100.523	9.35	80.692	0.479	0.277	0.099	0.124	23	38
At-AGO10	AT5G43810.1	988	110.866	9.51	80.192	0.465	0.277	0.098	0.135	31	38
Cc-AGO1	Ciclev10003971m	723	81.436	9.91	78.465	0.472	0.272	0.093	0.138	18	28
Cc-AGO2	Ciclev10004245m	992	111.541	9.49	79.889	0.460	0.281	0.098	0.133	36	31
Cc-AGO3	Ciclev10013619m	453	51.129	9.91	84.79	0.494	0.256	0.084	0.139	12	22
Cc-AGO4	Ciclev10011166m	730	82.062	9.45	81.479	0.473	0.255	0.107	0.141	25	27
Cc-AGO5	Ciclev10030593m	1030	117.063	9.37	81.01	0.450	0.293	0.094	0.125	33	31
Cc-AGO6	Ciclev10018625m.1	1073	118.306	9.47	72.022	0.483	0.271	0.093	0.122	24	38



Cc-AGO7	Ciclev10027752m	973	108.054	9.1	81.151	0.479	0.282	0.099	0.114	20	49
Cc-AGO8	Ciclev10027750m	975	108.576	9.74	78.892	0.479	0.281	0.088	0.125	25	45
Cc-AGO9	Ciclev10027755m	963	106.981	9.59	80.363	0.476	0.286	0.090	0.123	26	51
Cc-AGO10	Ciclev10027763m	955	106.928	9.36	82.283	0.476	0.286	0.095	0.119	26	41
Cc-AGO11	Ciclev10027760m	960	106.689	9.51	82.031	0.480	0.283	0.091	0.120	21	56
Cc-AGO12	Ciclev10014153m	981	110	9.29	80	0.476	0.286	0.090	0.123	23	40
Cc-AGO13	Ciclev10014144m	991	111.051	9.43	75.974	0.487	0.245	0.106	0.134	21	50
Cc-AGO14	Ciclev10014201m.1	898	100.919	9.54	86.281	0.472	0.273	0.100	0.131	21	34
Cc-AGO15	Ciclev10014186m	920	103.012	9.17	83.12	0.472	0.268	0.111	0.128	20	38
Pvi-AGO1	Pavirv00034080m	1,032	112.486	9.33	66.986	0.497	0.252	0.100	0.127	19	48
Pvi-AGO2	Pavirv00030355m	1,108	122.074	9.58	72.491	0.489	0.276	0.088	0.121	27	32
Pvi-AGO3	Pavirv00009860m	1,006	109.981	9.7	76.799	0.510	0.258	0.081	0.120	28	39
Pvi-AGO4	Pavirv00008497m	899	102.301	9.33	83.904	0.453	0.267	0.106	0.133	30	31
Pvi-AGO5	Pavirv00009309m	1,048	114.334	9.45	68.464	0.497	0.243	0.100	0.133	26	47
Pvi-AGO6	Pavirv00009308m	931	104.035	9.2	81.708	0.472	0.252	0.112	0.134	33	36
Pvi-AGO7	Pavirv00010118m.1	1,070	118.758	9.59	74.243	0.485	0.267	0.093	0.125	25	37
Pvi-AGO8	Pavirv00026903m.1	821	92.994	9.23	86.687	0.475	0.267	0.102	0.128	22	34
Pvi-AGO9	Pavirv00070119m	854	95.823	9.34	87.494	0.467	0.272	0.104	0.133	24	34
Pvi-AGO10	Pavirv00062436m	906	101	9.11	79.581	0.471	0.259	0.113	0.129	29	36
Pvi-AGO11	Pavirv00024831m	866	97.58	9.45	86.52	0.462	0.281	0.103	0.132	31	32
Pvi-AGO12	Pavirv00047388m	902	100	9.3	80.71	0.466	0.271	0.10	0.132	27	35
Pvi-AGO13	Pavirv00044789m	635	71.735	9.41	81.055	0.465	0.272	0.099	0.134	21	23
Pvi-AGO14	Pavirv00060575m	912	102.189	9.21	82.895	0.482	0.237	0.115	0.136	28	32
Pvi-AGO15	Pavirv00064834m	1027	114.27	9.58	76.553	0.485	0.257	0.096	0.129	29	31
Pvi-AGO16	Pavirv00069294m	1049	116.6	9.37	75.968	0.484	0.257	0.100	0.126	30	32
Pvi-AGO17	Pavirv00005128m	1035	116	9.6	83.64	0.487	0.245	0.096	0.133	32	35
Pvi-AGO18	Pavirv00026790m	868	94.30	9.96	77.6	0.516	0.251	0.083	0.132	25	25
Pvi-AGO19	Pavirv00037459m	871	97.468	9.23	80.23	0.472	0.258	0.113	0.133	26	31
Pvi-AGO20	Pavirv00020679m	773	86.612	9.16	86.973	0.471	0.269	0.106	0.128	23	30

Pvi-AGO21	Pavirv00037206m	1034	114.93	9.24	75.658	0.482	0.262	0.102	0.123	32	31
Pvi-AGO22	Pavirv00057838m	899	100	9.31	79.68	0.471	0.260	0.111	0.135	30	37
Pvi-AGO23	Pavirv00063222m	802	90.924	9.34	87.606	0.465	0.268	0.106	0.130	27	35
Pvi-AGO24	Pavirv00033214m	805	91.22	9.31	86.112	0.473	0.270	0.103	0.127	24	33
Glym-AGO1	Glyma05g08170.2	908	102.846	9.28	88.337	0.463	0.270	0.106	0.134	31	38
Glym-AGO2	Glyma17g12850.2	904	102.534	9.21	87.544	0.459	0.275	0.107	0.134	32	38
Glym-AGO3	Glyma06g23920.3	909	103	9.3	86	0.459	0.275	0.105	0.134	29	45
Glym-AGO4	Glyma04g21450.2	909	103.21	9.31	87.16	0.46	0.278	0.103	0.133	27	43
Glym-AGO5	Glyma20g28970.1	974	109.514	9.4	79.07	0.462	0.279	0.102	0.136	36	38
Glym-AGO6	Glyma02g00510.1	972	109	9.39	81.821	0.473	0.269	0.099	0.133	35	38
Glym-AGO7	Glyma10g38770.1	974	109	9.38	78.9	0.462	0.277	0.103	0.134	36	32
Glym-AGO8	Glyma10g00527.1	949	106.678	9.43	81.834	0.467	0.276	0.099	0.134	31	38
Glym-AGO9	Glyma16g34300.1	1053	116.503	9.47	73.78	0.49	0.264	0.094	0.124	28	38
Glym-AGO10	Glyma09g29720.1	1058	116	9.48	73	0.495	0.261	0.094	0.125	28	35
Glym-AGO11	Glyma12g08860.1	961	107.559	9.74	80.42	0.47	0.27	0.095	0.134	31	39
Glym-AGO12	Glyma11g19650.2	890	99.58	9.79	81.921	0.473	0.258	0.097	0.138	24	32
Glym-AGO13	Glyma02g12430.2	1031	117.896	9.38	83.27	0.440	0.288	0.098	0.129	30	35
Glym-AGO14	Glyma01g06370.2	1029	117.63	9.37	83.061	0.443	0.289	0.096	0.125	32	37
Glym-AGO15	Glyma20g12070.3	947	106	9.15	81.595	0.476	0.259	0.112	0.129	19	35
Glym-AGO16	Glyma02g44260.1	906	101.152	9.23	83.466	0.478	0.265	0.109	0.129	26	37
Glym-AGO17	Glyma14g04510.1	906	101.416	9.26	82.274	0.475	0.265	0.110	0.131	23	32
Glym-AGO18	Glyma13g26240.2	913	101	9.02	92.421	0.470	0.279	0.103	0.118	21	40
Glym-AGO19	Glyma06g47230.1	881	99.7	9.51	84.60	0.461	0.278	0.101	0.135	21	37
Glym-AGO20	Glyma15g13260.2	1037	117.38	9.1	80.347	0.474	0.261	0.112	0.131	26	39
Glym-AGO21	Glyma20g02820.1	966	108.51	9.47	77.919	0.461	0.285	0.097	0.131	19	46
Br-AGO1	Bra040815	1009	112.539	9.66	73.013	0.475	0.245	0.114	0.146	34	40
Br-AGO2	Bra032254	1111	122.885	9.53	70.027	0.481	0.276	0.092	0.125	31	33
Br-AGO3	Bra020152	906	101.33	9.43	81.832	0.470	0.288	0.097	0.123	27	33

Br-AGO4	Bra002360	930	105.373	9.37	81.828	0.471	0.276	0.100	0.126	21	42
Br-AGO5	Bra002349	1701	190.59	8.95	85.209	0.481	0.256	0.115	0.126	49	74
Br-AGO6	Bra002361	911	102.278	9.44	79.978	0.473	0.276	0.101	0.128	22	44
Br-AGO7	Bra033698	974	109.128	9.51	80.575	0.476	0.264	0.099	0.134	34	35
Br-AGO8	Bra003999	981	112.137	9.5	82.11	0.446	0.278	0.100	0.136	33	39
Br-AGO9	Bra011993	966	107.703	9.64	79.524	0.468	0.272	0.101	0.139	32	32
Br-AGO10	Bra022918	867	97.216	9.21	86.424	0.475	0.271	0.106	0.127	19	38
Br-AGO11	Bra023172	1037	115.561	9.79	71.398	0.471	0.252	0.110	0.148	25	50
Br-AGO12	Bra034318	922	103.032	9.06	79.599	0.476	0.273	0.106	0.121	24	40
Br-AGO13	Bra014136	1079	119.424	9.52	71.103	0.482	0.270	0.094	0.126	28	32
Vv-AGO1	GSVIVT01001941001	881	98.98	9.6	79.444	0.467	0.293	0.085	0.123	20	39
Vv-AGO2	GSVIVT01012490001	889	101.71	9.63	81.249	0.457	0.265	0.107	0.142	35	20
Vv-AGO3	GSVIVT01012529001	695	78.86	9.67	80.662	0.459	0.282	0.096	0.135	23	18
Vv-AGO4	GSVIVT01014252001	442	49.706	8.98	89.095	0.493	0.269	0.097	0.113	14	18
Vv-AGO5	GSVIVT01015464001	905	101.78	9.28	86.133	0.463	0.280	0.103	0.130	24	43
Vv-AGO6	GSVIVT01018054001	953	107	9.38	79.37	0.465	0.273	0.102	0.132	35	34
Vv-AGO7	GSVIVT01025868001	879	98.15	9.24	81.1	0.466	0.283	0.102	0.123	20	39
Vv-AGO8	GSVIVT01026261001	983	109	9.6	81.974	0.503	0.250	0.094	0.131	20	49
Vv-AGO9	GSVIVT01026264001	978	109.03	9.31	80.951	0.491	0.258	0.097	0.128	17	49
Vv-AGO10	GSVIVT01026268001	994	112	9.59	81.469	0.490	0.234	0.106	0.142	28	43
Vv-AGO11	GSVIVT01029383001	1038	115.40	9.43	76.657	0.480	0.272	0.096	0.125	30	32
Vv-AGO12	GSVIVT01030512001	900	100	9.41	87.156	0.473	0.267	0.102	0.131	18	45
Vv-AGO13	GSVIVT01031430001	1032	114.458	9.72	75.155	0.468	0.280	0.094	0.134	26	44
Vv-AGO14	GSVIVT01033726001	851	97.02	9.02	88.061	0.488	0.256	0.106	0.123	23	40
Vv-AGO15	GSVIVT01037488001	913	101	9.26	82.486	0.473	0.268	0.108	0.128	20	39
Ppr-AGO1	ppa000990m	939	104.195	9.06	82.694	0.482	0.265	0.109	0.122	18	45
Ppr-AGO2	ppa024131m	1,003	111.925	9.58	76.401	0.475	0.263	0.101	0.133	35	36
Ppr-AGO3	ppa000759m	1,013	114.939	9.43	82.359	0.457	0.283	0.100	0.131	31	35

Ppr-AGO4	ppa025242m	872	97.831	9.56	83.016	0.474	0.274	0.099	0.131	20	37
Ppr-AGO5	ppa000547m	1,102	121.592	9.5	70.998	0.487	0.274	0.091	0.121	29	32
Ppr-AGO6	ppa026254m	938	104.702	9.09	83.731	0.480	0.275	0.103	0.123	25	43
Ppr-AGO7	ppa000619m.1	1,069	118.535	9.46	72.498	0.484	0.266	0.097	0.127	26	36
Ppr-AGO8	ppa017623m	911	101.678	9.43	84.61	0.484	0.268	0.100	0.127	22	40
Ppr-AGO9	ppa001137m	898	100.254	9.16	85.824	0.474	0.278	0.101	0.121	19	37
Ppr-AGO10	ppa000823m	990	111.243	9.43	79.273	0.470	0.272	0.098	0.132	33	33
Ppr-AGO11	ppa000866m	976	108.594	9.47	78.678	0.481	0.257	0.100	0.132	24	31
Bd-AGO1	Bradi2g10360.1	638	70.892	8.97	84.436	0.502	0.255	0.096	0.110	11	34
Bd-AGO2	Bradi2g14147.1	914	101.853	9.36	84.989	0.486	0.246	0.109	0.133	25	46
Bd-AGO3	Bradi2g10370.1	924	102.862	9.15	78.983	0.473	0.267	0.108	0.127	23	39
Bd-AGO4	Bradi4g08587.1	882	98.259	9.39	84.841	0.477	0.262	0.104	0.132	19	39
Bd-AGO5	Bradi1g12430.1	766	85.497	9.2	91.253	0.491	0.269	0.099	0.123	27	27
Bd-AGO6	Bradi1g05162.1	1070	117.79	9.38	76.645	0.514	0.244	0.095	0.122	27	50
Bd-AGO7	Bradi1g28260.1	1075	118.398	9.4	70.242	0.475	0.273	0.098	0.130	21	47
Bd-AGO8	Bradi1g16060.1	1038	116.578	9.56	80.472	0.474	0.262	0.096	0.134	32	36
Bd-AGO9	Bradi1g36907.1	953	106.573	9.5	82.371	0.490	0.250	0.099	0.134	26	44
Bd-AGO10	Bradi1g54977.1	1029	111.4	9.64	76.181	0.520	0.250	0.085	0.122	29	39
Bd-AGO11	Bradi1g29577.1	1044	116.194	9.22	79.023	0.483	0.261	0.102	0.122	34	24
Bd-AGO12	Bradi5g18540.1	1094	121.346	9.57	72.888	0.486	0.266	0.093	0.126	27	39
Bd-AGO13	Bradi5g21810.1	899	101.484	9.4	74.905	0.446	0.254	0.120	0.150	34	21
Bd-AGO14	Bradi5g21800.1	1027	111.399	9.44	67.118	0.500	0.250	0.098	0.129	28	26
Bd-AGO15	Bradi3g51077.1	1053	117.441	9.72	84.881	0.484	0.270	0.088	0.125	27	47
Bd-AGO16	Bradi3g60697.1	1043	115.98	9.22	79.023	0.483	0.261	0.102	0.122	31	33
Cs-AGO1	Cucsa.082260.1	926	105.126	9.34	84.633	0.459	0.280	0.102	0.133	32	38
Cs-AGO2	Cucsa.112480.1	1058	117.418	9.41	71.862	0.470	0.278	0.095	0.123	27	36
Cs-AGO3	Cucsa.152920.1	915	102.07	9.25	83.596	0.480	0.268	0.106	0.127	20	41
Cs-AGO4	Cucsa.185140.1	904	101.508	9.36	85.277	0.470	0.271	0.104	0.132	18	44

Cs-AGO5	Cucsa.200260.1	860	96.869	9.27	83.14	0.472	0.269	0.102	0.128	20	49
Cs-AGO6	Cucsa.254700.1	984	110.71	9.51	79.451	0.467	0.271	0.101	0.137	34	32
Cs-AGO7	Cucsa.284770.1	1019	115.9	9.39	84.328	0.467	0.272	0.097	0.129	26	43
Th-AGO1	Thhalv10016181m	989	109.369	9.68	77.169	0.466	0.281	0.096	0.133	27	34
Th-AGO2	Thhalv10016224m	877	99	9.3	83.888	0.491	0.264	0.098	0.123	22	40
Th-AGO3	Thhalv10011196m.1	1084	119.4	9.54	72.214	0.492	0.264	0.096	0.123	28	36
Th-AGO4	Thhalv10006643m	1058	117	9.75	67.401	0.493	0.264	0.097	0.121	23	51
Th-AGO5	Thhalv10018068m	999	114.24	9.49	80.751	0.447	0.286	0.100	0.133	29	37
Th-AGO6	Thhalv10001902m	922	103.19	9.03	79.924	0.478	0.270	0.101	0.127	22	37
Th-AGO7	Thhalv10015501m	850	96.037	9.49	82.071	0.470	0.275	0.103	0.128	26	46
Th-AGO7	Thhalv10012624m	903	100.63	9.5	83.27	0.459	0.288	0.103	0.123	25	40
Th-AGO9	Thhalv10003139m	979	109	9.55	80.746	0.460	0.278	0.103	0.133	33	34
St-AGO1	PGSC0003DMT400053301.1	920	104	9.36	84.13	0.467	0.298	0.090	0.117	33	39
St-AGO2	PGSC0003DMT400069313.1	1054	117	9.53	74.35	0.475	0.290	0.092	0.119	32	32
St-AGO3	PGSC0003DMT400018363.1	1025	114	9.45	74.63	0.473	0.288	0.091	0.126	24	50
St-AGO4	PGSC0003DMT400069459.1	913	101.9	9.15	81.7	0.475	0.291	0.091	0.122	19	41
St-AGO5	PGSC0003DMT400077569	959	107	9.44	79.99	0.465	0.289	0.102	0.115	25	35
St-AGO6	PGSC0003DMT400079716.1	1127	124	9.56	70.5	0.472	0.300	0.087	0.120	33	31
St-AGO7	PGSC0003DMT400062439	1002	114.23	9.36	85.96	0.468	0.284	0.102	0.118	30	34
St-AGO8	PGSC0003DMT400058471.1	909	101.7	9.21	81.45	0.467	0.286	0.102	0.116	18	45
St-AGO9	PGSC0003DMT400054669	1051	117	9.47	72.1	0.451	0.298	0.104	0.115	23	35
St-AGO10	PGSC0003DMT400054667	730	82.9	8.77	85.65	0.492	0.277	0.085	0.115	23	28
St-AGO11	PGSC0003DMT400054661	980	110	9.36	77.347	0.489	0.278	0.087	0.117	24	37
Cp-AGO1	supercontig_1.68	879	99.937	9.37	84.835	0.469	0.276	0.101	0.129	28	29
Cp-AGO2	supercontig_135.40	1012	114.03	9.25	76.808	0.458	0.263	0.110	0.135	20	48
Cp-AGO3	supercontig_26.59	923	103.149	9.13	84.269	0.481	0.258	0.112	0.128	20	42
Cp-AGO4	supercontig_44.130	990	111.617	9.38	78.384	0.462	0.274	0.103	0.134	34	32

Cp-AGO5	supercontig_47.31	886	100.145	9.37	85.734	0.468	0.278	0.102	0.130	29	35
Cp-AGO6	supercontig_75.90	915	103.738	9.25	83.625	0.445	0.275	0.102	0.128	26	43
Os-AGO1	LOC_Os04g52550.1	1109	122	9.37	72.29	0.463	0.241	0.118	0.147	29	37
Os-AGO2	LOC_Os04g47870.1	1118	123.59	9.6	72.8	0.487	0.267	0.089	0.122	24	38
Os-AGO3	LOC_Os04g06770.2.1	911	101	9.26	81.3	0.473	0.267	0.108	0.128	29	35
Os-AGO4	LOC_Os07g09020.1	1052	113	9.72	76.673	0.519	0.258	0.081	0.120	25	47
Os-AGO5	LOC_Os01g16870.3.1	904	100	9.31	81.62	0.475	0.265	0.107	0.131	27	35
Os-AGO6	LOC_Os03g47830.1	892	98.7	8.75	77.8	0.478	0.262	0.111	0.121	24	28
Os-AGO7	LOC_Os03g57560.1	1060	121	9.44	86.33	0.468	0.262	0.101	0.137	36	46
Os-AGO8	LOC_Os03g47820.1	1058	116	9.59	75	0.483	0.270	0.092	0.131	27	43
Os-AGO9	LOC_Os03g58600.1	1058	117	9.42	75.46	0.499	0.250	0.098	0.127	24	50
Os-AGO10	LOC_Os03g33650.1	1048	117	9.58	84.17	0.487	0.240	0.101	0.137	35	35
Os-AGO11	LOC_Os02g58490.1	1011	113	9.65	79.01	0.476	0.271	0.093	0.130	30	35
Os-AGO12	LOC_Os02g45070.1	1082	120	9.52	74.9	0.482	0.27	0.092	0.122	31	39
Os-AGO13	LOC_Os02g07310.1	876	98	9.09	88	0.473	0.274	0.098	0.120	33	36
Os-AGO14	LOC_Os06g51310.2.1	1038	115	9.28	77.52	0.479	0.266	0.098	0.127	37	24
Os-AGO15	LOC_Os06g39640.1	973	107	9.5	79.99	0.491	0.254	0.096	0.131	24	42
AC-AGO1	Aquca_014_00920.1	835	93.659	9.42	83.593	0.471	0.275	0.103	0.128	26	32
AC-AGO2	Aquca_014_00922.1	905	100.793	9.45	83.348	0.492	0.264	0.098	0.123	25	35
AC-AGO3	Aquca_035_00087.1	898	100.708	9.55	86.715	0.479	0.263	0.102	0.134	29	32
AC-AGO4	Aquca_002_01245.1	1049	118.209	9.32	91.23	0.485	0.268	0.093	0.135	24	56
AC-AGO5	Aquca_006_00113.1	785	88.582	9.66	90.484	0.485	0.268	0.093	0.135	21	38
AC-AGO6	Aquca_013_00448.1	876	99.446	9.31	83.436	0.474	0.255	0.107	0.132	17	46
AC-AGO7	Aquca_002_00494.1	663	74.211	9.78	87.315	0.469	0.270	0.100	0.149	20	25
AC-AGO8	Aquca_025_00079.1	898	100.91	9.28	89.833	0.474	0.265	0.108	0.131	23	34
AC-AGO9	Aquca_091_00081.1	1084	120.186	9.56	71.762	0.473	0.282	0.091	0.125	29	33
AC-AGO10	Aquca_022_00300.1	920	103.04	9.61	81.37	0.460	0.277	0.097	0.134	35	38
AC-AGO11	Aquca_017_00554.1	999	112.323	9.33	80.09	0.460	0.278	0.103	0.133	34	41

AC -AGO12	Aquca_001_00697.1	941	107.081	9.38	84.208	0.460	0.277	0.102	0.135	36	32
AC -AGO13	Aquca_002_01350.1	1054	115.479	9.67	76.66	0.505	0.269	0.083	0.118	28	35
AC -AGO14	Aquca_002_00707.1	952	107.86	9.44	85.903	0.458	0.287	0.100	0.129	34	27
AC -AGO15	Aquca_002_01349.1	1038	115.599	9.28	74.335	0.465	0.300	0.092	0.117	20	41
AC -AGO16	Aquca_017_00554.1	999	112.323	9.33	80.09	0.460	0.278	0.103	0.133	34	41
AC -AGO17	Aquca_002_01350.1	1054	115.479	9.67	76.66	0.505	0.269	0.083	0.118	28	35
AC -AGO18	Aquca_019_00127.1	917	102.708	9.58	81.614	0.463	0.281	0.095	0.130	27	37
Pt-AGO1	Potri.010G081300.1	999	111.937	9.48	79.429	0.465	0.276	0.097	0.133	33	36
Pt-AGO2	Potri.010G163800.1	1,030	117.405	9.51	81.573	0.455	0.290	0.093	0.130	36	34
Pt-AGO3	Potri.009G001500.1	987	110.386	9.56	77.649	0.466	0.273	0.101	0.139	26	38
Pt-AGO4	Potri.006G118600.1	879	98.054	9.47	83.641	0.481	0.272	0.093	0.127	28	34
Pt-AGO5	Potri.006G025900.1	930	103.745	9.1	82.269	0.477	0.278	0.103	0.118	22	36
Pt-AGO6	Potri.016G024200.1	921	102.817	9.2	81.292	0.479	0.277	0.102	0.119	25	31
Pt-AGO7	Potri.015G029000.1	875	98.738	9.41	83.669	0.480	0.256	0.102	0.133	25	35
Pt-AGO8	Potri.015G117400.1	895	101.168	9.35	85.777	0.468	0.268	0.104	0.132	23	42
Pt-AGO9	Potri.014G159400.1	910	101.656	9.32	84.473	0.470	0.279	0.100	0.124	24	38
Pt-AGO10	Potri.008G010500.1	923	103.479	9.19	80.856	0.463	0.282	0.104	0.124	18	43
Pt-AGO11	Potri.008G158800.1	996	111.731	9.38	79.488	0.463	0.277	0.100	0.132	34	32
Pt-AGO12	Potri.001G213700.1	985	110.131	9.59	75.411	0.456	0.277	0.102	0.138	29	37
Pt-AGO13	Potri.001G219700.1	911	101.825	9.18	82.119	0.480	0.265	0.108	0.126	23	37
Pt-AGO14	Potri.012G118700.1	1,039	113.807	9.4	72.936	0.494	0.235	0.108	0.137	19	46
Pt-AGO15	Potri.012G037100.1	1,062	117.665	9.48	73.531	0.484	0.266	0.097	0.128	27	36
Md-AGO1	MDP0000285251	2583	288.42	9.19	82	0.474	0.292	0.091	0.113	71	99
Md-AGO2	MDP0000161046	1115	121	9.37	69.27	0.493	0.277	0.091	0.116	28	35
Md-AGO3	MDP0000118779	1016	114	9.48	84.204	0.461	0.270	0.100	0.132	35	30
Md-AGO4	MDP0000215105	845	94.75	9.53	79.709	0.463	0.270	0.102	0.130	18	39
Md-AGO5	MDP0000292511	2251	253	9.03	81.51	0.472	0.260	0.115	0.131	61	84
Md-AGO6	MDP0000071268	988	110	9.45	80.73	0.474	0.268	0.096	0.131	34	32

Md-AGO7	MDP0000159246	1024	116	9.49	84.355	0.464	0.277	0.097	0.130	40	31
Md-AGO8	MDP0000069525	1093	121	9.43	72.608	0.483	0.274	0.092	0.123	29	37
Md-AGO9	MDP0000209079	888	99	9.51	83.4	0.475	0.264	0.104	0.134	25	32
Md-AGO10	MDP0000774227	982	109	9.65	76.65	0.476	0.259	0.101	0.138	36	35
Md-AGO11	MDP0000232035	978	109	9.7	78.646	0.480	0.258	0.096	0.136	34	31
Md-AGO12	MDP0000199819	974	109.	9.44	83.19	0.477	0.265	0.095	0.129	33	34
Md-AGO13	MDP0000305971	2043	227.855	8.84	83.19	0.483	0.276	0.098	0.111	61	79
Md-AGO14	MDP0000191579	956	106	9.35	81.419	0.476	0.270	0.097	0.128	32	33
Md-AGO15	MDP0000260407	994	109	9.31	75.0	0.501	0.262	0.089	0.115	24	37
Gr-AGO1	Gorai.010G171800.1	1028	115.56	9.36	76.411	0.484	0.262	0.101	0.129	20	47
Gr-AGO2	Gorai.009G325500.1	1015	115	9.46	82	0.466	0.275	0.096	0.129	28	33
Gr-AGO3	Gorai.009G446700.1	1034	115.014	9.42	75.319	0.468	0.273	0.102	0.132	22	39
Gr-AGO4	Gorai.009G021900.1	937	105	9.29	83.93	0.460	0.279	0.105	0.133	28	48
Gr-AGO5	Gorai.009G105600.1	912	102	9.32	82.05	0.468	0.285	0.102	0.124	20	42
Gr-AGO6	Gorai.004G228100.1	913	101	9.18	81.961	0.469	0.283	0.105	0.124	22	35
Gr-AGO7	Gorai.013G089400.1	1006	114	9.47	79.1	0.454	0.288	0.094	0.128	30	35
Gr-AGO8	Gorai.011G166600.1	995	111	9.45	78.09	0.462	0.280	0.097	0.131	34	32
Gr-AGO9	Gorai.008G294100.1	1080	119	9.48	73.565	0.489	0.268	0.094	0.124	26	37
Gr-AGO10	Gorai.001G195700.1	898	100	9.36	89.54	0.472	0.267	0.107	0.135	28	34
Gr-AGO11	Gorai.006G189400.1	1053	116	9.4	74.2	0.481	0.273	0.093	0.124	28	36
Gr-AGO12	Gorai.006G103100.1	939	104	9.45	79.27	0.486	0.275	0.092	0.129	24	41
Gr-AGO13	Gorai.006G243200.1	953	106	9.43	79.087	0.465	0.281	0.097	0.130	32	32