



Supplementary Table 1

Sequences of the four possible adhesins specific to *L. garvieae* 21881

```
>contig00042 complement(5326..8865) 1179aa (PF06458)
MESKNYKKILKSVLVCGAAIMSMTTINALADETEPLQNFTQQMDSMDNTEASNFLRSYGL
RNGTVAGSKVSVSRTSSGFTVQNPKENVESFTANWITDTSKIKLTVSNAFYVNTPIEFSS
KIKQPLAKGEELLIPLNITGTIFNSSSSSYTYEGNITQNNGTNYTSQDGSFSYNYDNKTGN
LKVKALDDRGLTDYSGLTFLNANNWIPVPLRENPMPLKGGVAGNYGAKGSGATVKVKVGD
KETSETLTNTADIDFTTTLQAYNNDIFGKGAEYTTQKTASSSTNFLANFPLINQLKKGKT
KNLLDESMNHYEYVQVSNKAFKNEEDIFKGLSIETYIPIGSSSSGAPITAIQAQATVDFK
PEFKSVIKNASYDKEKQIFSFDLNKKTDWQALGADLLQNEAYGSSNGKERAAWITDYLK
AMANGNVDQNTTFSSYYPVNSVSVFVPVNNNFSLKVDVTVTNSLSKAKTTNHIIVDPVKAG
NGDTTKAAVQQLQMDSEGNPIGELQTPSYYGSGDAYTVTPPVIKGYRLLNVNPQSLIDKL
GITNVVDQQKFDSSNIGNIYNVVEYVKEVPLTYSVIDDTTGETLEEHQDLATGALNQE
ANIKENQDKLQESYKSKGYLLGNIENGNLPVPTDEKGYNVTLHLSHDAHKAVIDGKS
KTITQTVHYQGAGNETPEDNVQTLTFTSKITQITIDSVTQAVLSEEAPVWSEQOTTAKVTT
PQIKDYEADQAVVEGSTFTHDNSDKKVTVYKSTLAPLTYTIVDDTTDKTLEKEVDFAMG
TVGEEVNTSDNQEKLKQLIKSYTDKGYLLGNSENADLPTPKDNTGYTITLHFTHATHEQV
VDGETKKVTQTIHYQGAGNETPEDDVQVLFTFTSKITQITIDNVTHRVLAEAKPVWPEQOST
RAVDSPTLKDYAADKESVPSMNYNDSYDSEDVVLEVNYSSSTIAPITYSVIDDTAGKTLEDKK
DFVMSHVLEPINTSENQDKLKSIAKSYTDKGYVLGNIENEELPVPDGTGKYDVVFHLTHG
TSEKVIDDESKTVTQKIQYKAGAKTPEEDIQKFVFTSTLTQITIDVTGDVVSTSGPTWS
DNQHSKAVKTPEIDGYSSDIDTVKSYDYDHEAKDKTITVSYKEVPPVKEVKVKNILP
QTGTEAEIGLAFTGAALVLIAGALYVKSCLRKESIKNDD
```

```
>contig00042 complement(39668..43489) 1273aa (PF05738)
MKKQHAKIRQLTKALTEKKLSHFSSMRKSGRWRITRSAILVLAGGTGLIAVINPSLISTVA
YALTLPPGNTQIGSIGNAPVIQTSNNNFSTMQPLFDSLGTGTIQPEYIVGDTQDGTGGKPV
AWNSSTTYAGTAISNANSLVNGANGLSYDTHYGMGISDGFQDNDKFNYSKGOEINIKN
IGTAYNVKTGKNVPIGMAVKINDATYYDSTTSSSPRNFGDGFRLLVGARNNGGTITLGY
MVSMGIPNSGSGQGNEGGGSGGSGDAIGAASGIPESVRGTISLYDMDTKQNLPASTIM
AMKVSDIDAGQSAQLSNGALGYIVSKPTNLELRDNLITAKGNDTVVGD SANLNANSYIAL
YNGSSTALNFVDNNGNQGSIIQAVFGNLGSTSPHQSLGYIEIDKTTIQYGKDLPNPLY
```

DFQDISFDVLDSTGKKVDTLKLDSGKSVKSKGLPPGKYTLHETSGKWSSTGQTVLPDFT
VEVKAGDTTTAKPKNTAVTGEITIKKSGVESGDAMWNNENYTTLEGTTFKLTSKTDGKTYTA
VIGKESNGEWKTTVKDLPLGTYTIEETKASPGFTNTFEKKEVTLSYKDQHTEIVFGETKG
TNQEVKGENTLKKSDNETGTDQNGKGVLTAKYAYFHDDDSTGSSPHKKGDPVKWSEKPA
PKLLAGEVVHSAIIGGNPVSYGDNVIEIDDESLSIALGNLPAGKYKVREVDAGEGYVTD
PTEHKFEIQKQDDKTQNIIVTPESSSKEQLIKAKITLDMVTLPDSQGGSGYNGIEFTAEP
MEGTVADPVKFTVGVNPNVTGDDGYASQELAYGDWKVSETKGVVEGYEDVKPVYIHMEDTE
KDILTISASYEDFSKPFKRTFSLKDSSTESNPNGEGTVGEVTPEVPTISLSTIHFNDN
PTPEKVPSIDIEKANDKIPEPGEGNHKDKDNNGGENDRDTPDTALEVESGKSTAIKFRFT
NNGTEALTHLVSDKTIEGGISIKDPAWFFNGEKLSTNKDGELVTKDGKLLVLQPDEFVT
GEGTLPPELSDGKLGDEVSVSGVGVESGKEVGEDDKWYGKPKKEEVPSIDIEKADSKAPEA
GEGNHKDKPNNAGENDHDTEDTAKELEENKATEIFFKTTNNGTEPLTHLKIVDKTIAGKA
NVKNIKLYKEKPLKVNKDGELETTEDGKLLVLNPGETIEGKGTLEGLAAGDIHGDNVTVD
GVGVHSGKKVGDNDNWWYGKVTTPKTPEQPKNIFNISLPKTMKAQTILTAIAAVIVVIVA
GLGTFFYRKNMK

>contig00026 complement(51658..52068) 136aa (PF06458)
VTFTRQVSTDTVTGKETYGSWSADQSFAAVTSPVIKGYTPDQAEIGAQTVSGDASDLDF
VIYTKDAPTKPVNPSQPTTPAKPVQAGQAAATNFVDQRLPQTGETDQQHMTLSGLLLLAM
SSVLGLFGMTKRQRKE

>contig00049 complement(2350..3180) 276aa
MKKTLIAGLILVTVSIGVQASADSINGYQVTLTDSNTAIGKNGLIWHNDGGTWTYADDGSE
NGFIAPDKPEIPAIAIKTPKIPESTAKPIVPHKVLPEQKIPTKLLTVDTTDNIPGEVVNPQ
HIEQLTPPNPNVGAHLDAHQHIEKAPKPIKQNIPEPIAVKNLTEKPKINKNSSSTVRIIE
PKKLDNSVTHYSIPSDTEQEIKKAKNDTHVATLTPKTQAVLTTLGTGMKSSPTRTYQAKG
TPLPATGEDDTMTYVVLGMSSIVGAAVLALYLQRNS

* The LPxTG-type motifs are highlighted in blue.