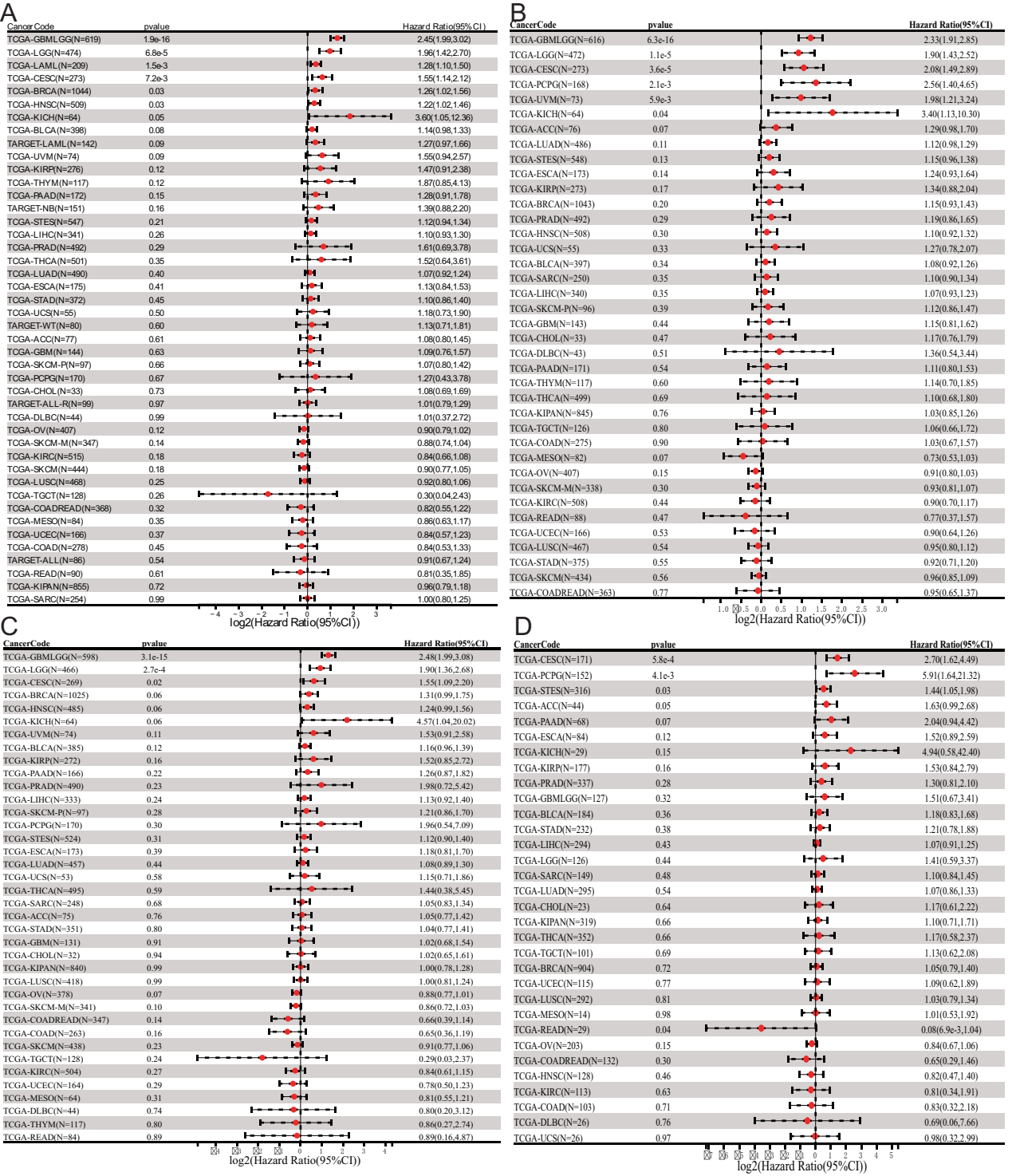
A
CancerCode pvalue Hazard Ratio(95%CI)
TCGA-GBMLGG(N=619) 1.9e-16 2.45(1.99,3.02)
TCGA-LGG(N=474) 6.8e-5 1.96(1.42,2.70)
TCGA-LAML(N=209) 1.5e-3 1.28(1.10,1.50)
TCGA-CESC(N=273) 7.2e-3 1.55(1.14,2.12)
TCGA-BRCA(N=1044) 0.03 1.26(1.02,1.56)
TCGA-HNSC(N=509) 0.03 1.22(1.02,1.46)
TCGA-KICH(N=64) 0.05 3.60(1.05,12.36)
TCGA-BLCA(N=398) 0.08 1.14(0.98,1.33)
TARGET-LAML(N=142) 0.09 1.27(0.97,1.66)
TCGA-UVM(N=74) 0.09 1.55(0.94,2.57)
TCGA-KIRP(N=276) 0.12 1.47(0.91,2.38)
TCGA-THYM(N=117) 0.12 1.87(0.85,4.13)
TCGA-PAAD(N=172) 0.15 1.28(0.91,1.78)
TARGET-NB(N=151) 0.16 1.39(0.88,2.20)
TCGA-STES(N=547) 0.21 1.12(0.94,1.34)
TCGA-LIHC(N=341) 0.26 1.10(0.93,1.30)
TCGA-PRAD(N=492) 0.29 1.61(0.69,3.78)
TCGA-THCA(N=501) 0.35 1.52(0.64,3.61)
TCGA-LUAD(N=490) 0.40 1.07(0.92,1.24)
TCGA-ESCA(N=175) 0.41 1.13(0.84,1.53)
TCGA-STAD(N=372) 0.45 1.10(0.86,1.40)
TCGA-UCS(N=55) 0.50 1.18(0.73,1.90)
TARGET-WT(N=80) 0.60 1.13(0.71,1.81)
TCGA-ACC(N=77) 0.61 1.08(0.80,1.45)
TCGA-GBM(N=144) 0.63 1.09(0.76,1.57)
TCGA-SKCM-P(N=97) 0.66 1.07(0.80,1.42)
TCGA-PCPG(N=170) 0.67 1.27(0.43,3.78)
TCGA-CHOL(N=33) 0.73 1.08(0.69,1.69)
TARGET-ALL-R(N=99) 0.97 1.01(0.79,1.29)
TCGA-DLBC(N=44) 0.99 1.01(0.37,2.72)
TCGA-OV(N=407) 0.12 0.90(0.79,1.02)
TCGA-SKCM-M(N=347) 0.14 0.88(0.74,1.04)
TCGA-KIRC(N=515) 0.18 0.84(0.66,1.08)
TCGA-SKCM(N=444) 0.18 0.90(0.77,1.05)
TCGA-LUSC(N=468) 0.25 0.92(0.80,1.06)
TCGA-TGCT(N=128) 0.26 0.30(0.04,2.43)
TCGA-COADREAD(N=368) 0.32 0.82(0.55,1.22)
TCGA-MESO(N=84) 0.35 0.86(0.63,1.17)
TCGA-UCEC(N=166) 0.37 0.84(0.57,1.23)
TCGA-COAD(N=278) 0.45 0.84(0.53,1.33)
TARGET-ALL(N=86) 0.54 0.91(0.67,1.24)
TCGA-READ(N=90) 0.61 0.81(0.35,1.85)
TCGA-KIPAN(N=855) 0.72 0.96(0.79,1.18)
TCGA-SARC(N=254) 0.99 1.00(0.80,1.25)
−4 −3 −2 −1 0 1 2 3
log2(Hazard Ratio(95%CI))
B
CancerCode pvalue Hazard Ratio(95%CI)
TCGA-GBMLGG(N=616) 6.3e-16 2.33(1.91,2.85)
TCGA-LGG(N=472) 1.1e-5 1.90(1.43,2.52)
TCGA-CESC(N=273) 3.6e-5 2.08(1.49,2.89)
TCGA-PCPG(N=168) 2.1e-3 2.56(1.40,4.65)
TCGA-UVM(N=73) 5.9e-3 1.98(1.21,3.24)
TCGA-KICH(N=64) 0.04 3.40(1.13,10.30)
TCGA-ACC(N=76) 0.07 1.29(0.98,1.70)
TCGA-LUAD(N=486) 0.11 1.12(0.98,1.29)
TCGA-STES(N=548) 0.13 1.15(0.96,1.38)
TCGA-ESCA(N=173) 0.14 1.24(0.93,1.64)
TCGA-KIRP(N=273) 0.17 1.34(0.88,2.04)
TCGA-BRCA(N=1043) 0.20 1.15(0.93,1.43)
TCGA-PRAD(N=492) 0.29 1.19(0.86,1.65)
TCGA-HNSC(N=508) 0.30 1.10(0.92,1.32)
TCGA-UCS(N=55) 0.33 1.27(0.78,2.07)
TCGA-BLCA(N=397) 0.34 1.08(0.92,1.26)
TCGA-SARC(N=250) 0.35 1.10(0.90,1.34)
TCGA-LIHC(N=340) 0.35 1.07(0.93,1.23)
TCGA-SKCM-P(N=96) 0.39 1.12(0.86,1.47)
TCGA-GBM(N=143) 0.44 1.15(0.81,1.62)
TCGA-CHOL(N=33) 0.47 1.17(0.76,1.79)
TCGA-DLBC(N=43) 0.51 1.36(0.54,3.44)
TCGA-PAAD(N=171) 0.54 1.11(0.80,1.53)
TCGA-THYM(N=117) 0.60 1.14(0.70,1.85)
TCGA-THCA(N=499) 0.69 1.10(0.68,1.80)
TCGA-KIPAN(N=845) 0.76 1.03(0.85,1.26)
TCGA-TGCT(N=126) 0.80 1.06(0.66,1.72)
TCGA-COAD(N=275) 0.90 1.03(0.67,1.57)
TCGA-MESO(N=82) 0.07 0.73(0.53,1.03)
TCGA-OV(N=407) 0.15 0.91(0.80,1.03)
TCGA-SKCM-M(N=338) 0.30 0.93(0.81,1.07)
TCGA-KIRC(N=508) 0.44 0.90(0.70,1.17)
TCGA-READ(N=88) 0.47 0.77(0.37,1.57)
TCGA-UCEC(N=166) 0.53 0.90(0.64,1.26)
TCGA-LUSC(N=467) 0.54 0.95(0.80,1.12)
TCGA-STAD(N=375) 0.55 0.92(0.71,1.20)
TCGA-SKCM(N=434) 0.56 0.96(0.85,1.09)
TCGA-COADREAD(N=363) 0.77 0.95(0.65,1.37)
1.0 0.5 0.0 0.5 1.0 1.5 2.0 2.5 3.0
log2(Hazard Ratio(95%CI))
C
CancerCode pvalue Hazard Ratio(95%CI)
TCGA-GBMLGG(N=598) 3.1e-15 2.48(1.99,3.08)
TCGA-LGG(N=466) 2.7e-4 1.90(1.36,2.68)
TCGA-CESC(N=269) 0.02 1.55(1.09,2.20)
TCGA-BRCA(N=1025) 0.06 1.31(0.99,1.75)
TCGA-HNSC(N=485) 0.06 1.24(0.99,1.56)
TCGA-KICH(N=64) 0.06 4.57(1.04,20.02)
TCGA-UVM(N=74) 0.11 1.53(0.91,2.58)
TCGA-BLCA(N=385) 0.12 1.16(0.96,1.39)
TCGA-KIRP(N=272) 0.16 1.52(0.85,2.72)
TCGA-PAAD(N=166) 0.22 1.26(0.87,1.82)
TCGA-PRAD(N=490) 0.23 1.98(0.72,5.42)
TCGA-LIHC(N=333) 0.24 1.13(0.92,1.40)
TCGA-SKCM-P(N=97) 0.28 1.21(0.86,1.70)
TCGA-PCPG(N=170) 0.30 1.96(0.54,7.09)
TCGA-STES(N=524) 0.31 1.12(0.90,1.40)
TCGA-ESCA(N=173) 0.39 1.18(0.81,1.70)
TCGA-LUAD(N=457) 0.44 1.08(0.89,1.30)
TCGA-UCS(N=53) 0.58 1.15(0.71,1.86)
TCGA-THCA(N=495) 0.59 1.44(0.38,5.45)
TCGA-SARC(N=248) 0.68 1.05(0.83,1.34)
TCGA-ACC(N=75) 0.76 1.05(0.77,1.42)
TCGA-STAD(N=351) 0.80 1.04(0.77,1.41)
TCGA-GBM(N=131) 0.91 1.02(0.68,1.54)
TCGA-CHOL(N=32) 0.94 1.02(0.65,1.61)
TCGA-KIPAN(N=840) 0.99 1.00(0.78,1.28)
TCGA-LUSC(N=418) 0.99 1.00(0.81,1.24)
TCGA-OV(N=378) 0.07 0.88(0.77,1.01)
TCGA-SKCM-M(N=341) 0.10 0.86(0.72,1.03)
TCGA-COADREAD(N=347) 0.14 0.66(0.39,1.14)
TCGA-COAD(N=263) 0.16 0.65(0.36,1.19)
TCGA-SKCM(N=438) 0.23 0.91(0.77,1.06)
TCGA-TGCT(N=128) 0.24 0.29(0.03,2.37)
TCGA-KIRC(N=504) 0.27 0.84(0.61,1.15)
TCGA-UCEC(N=164) 0.29 0.78(0.50,1.23)
TCGA-MESO(N=64) 0.31 0.81(0.55,1.21)
TCGA-DLBC(N=44) 0.74 0.80(0.20,3.12)
TCGA-THYM(N=117) 0.80 0.86(0.27,2.74)
TCGA-READ(N=84) 0.89 0.89(0.16,4.87)
−4 −3 −2 −1 0 1 2 3 4
log2(Hazard Ratio(95%CI))
D
CancerCode pvalue Hazard Ratio(95%CI)
TCGA-CESC(N=171) 5.8e-4 2.70(1.62,4.49)
TCGA-PCPG(N=152) 4.1e-3 5.91(1.64,21.32)
TCGA-STES(N=316) 0.03 1.44(1.05,1.98)
TCGA-ACC(N=44) 0.05 1.63(0.99,2.68)
TCGA-PAAD(N=68) 0.07 2.04(0.94,4.42)
TCGA-ESCA(N=84) 0.12 1.52(0.89,2.59)
TCGA-KICH(N=29) 0.15 4.94(0.58,42.40)
TCGA-KIRP(N=177) 0.16 1.53(0.84,2.79)
TCGA-PRAD(N=337) 0.28 1.30(0.81,2.10)
TCGA-GBMLGG(N=127) 0.32 1.51(0.67,3.41)
TCGA-BLCA(N=184) 0.36 1.18(0.83,1.68)
TCGA-STAD(N=232) 0.38 1.21(0.78,1.88)
TCGA-LIHC(N=294) 0.43 1.07(0.91,1.25)
TCGA-LGG(N=126) 0.44 1.41(0.59,3.37)
TCGA-SARC(N=149) 0.48 1.10(0.84,1.45)
TCGA-LUAD(N=295) 0.54 1.07(0.86,1.33)
TCGA-CHOL(N=23) 0.64 1.17(0.61,2.22)
TCGA-KIPAN(N=319) 0.66 1.10(0.71,1.71)
TCGA-THCA(N=352) 0.66 1.17(0.58,2.37)
TCGA-TGCT(N=101) 0.69 1.13(0.62,2.08)
TCGA-BRCA(N=904) 0.72 1.05(0.79,1.40)
TCGA-UCEC(N=115) 0.77 1.09(0.62,1.89)
TCGA-LUSC(N=292) 0.81 1.03(0.79,1.34)
TCGA-MESO(N=14) 0.98 1.01(0.53,1.92)
TCGA-READ(N=29) 0.04 0.08(6.9e-3,1.04)
TCGA-OV(N=203) 0.15 0.84(0.67,1.06)
TCGA-COADREAD(N=132) 0.30 0.65(0.29,1.46)
TCGA-HNSC(N=128) 0.46 0.82(0.47,1.40)
TCGA-KIRC(N=113) 0.63 0.81(0.34,1.91)
TCGA-COAD(N=103) 0.71 0.83(0.32,2.18)
TCGA-DLBC(N=26) 0.76 0.69(0.06,7.66)
TCGA-UCS(N=26) 0.97 0.98(0.32,2.99)
−7 −6 −5 −4 −3 −2 −1 0 1 2 3 4 5
log2(Hazard Ratio(95%CI))